





Sites					Fragments			Sites					Fragments				
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
GATNN NNATC		2595		1197	1398-2594				1129	279	4175-4453				1225	251	2465-2715
BsaHI		8	121	1538	1198-2735				1747	224	780-1003				2073	166	4454-4619
GR CGYC			174	1315	3517-120				2465	131	3574-3704				2716	120	4638-46
			257	755	443-1197				3260	96	1129-1224				3541	59	1070-1128
			443	702	2736-3437				3573	55	725-779				3574	50	3740-3789
			1198	186	257-442				3705	35	1035-1069				3740	35	3705-3739
			2736	83	174-256				3790	32	3541-3572				3791	31	1004-1034
			3438	79	3438-3516				3822	31	3791-3821				4175	18	4620-4637
			3517	53	121-173				4454	1	724-724				4620	1	3573-3573
									4638	1	3790-3790						
BsaI		2	1083	2642	1083-3724			BseRI	3	608	2765	2554-607					
GGTCTCN			3725	2069	3725-1082			GAGGAGNNNNNNNNNN.932		1622	932-2553						
NNNNNGAGACC								NNNNNNNNCTCCTC ...2554		324	608-931						
BsaJI		23	359	1009	1261-2269			BsgI	1	1191	4711	1191-1190					
C C NNGG			610	690	3804-4493			GTGCAGNNNNNNNNNN...									
			757	576	4494-358			NNNNNNNNNNNNNNNC...									
			781	405	3168-3572												
			817	341	2558-2898			BsiEI	4	604	1717	928-2644					
			874	269	2899-3167			CGRY CG		928	1675	2645-4319					
			934	251	359-609					2645	995	4320-603					
			1030	231	1030-1260					4320	324	604-927					
			1261	147	610-756			BsiHKAI	3	2849	3216	4344-2848					
			2270	127	3573-3699			GWGCW C		3039	1305	3039-4343					
			2342	123	2342-2464					4344	190	2849-3038					
			2465	102	3701-3802			BsII	26	48	677	48-724					
			2500	96	934-1029			CCNNNNN NNGG		725	544	2717-3260					
			2509	72	2270-2341					726	522	1226-1747					
			2558	60	874-933					781	392	2074-2465					
			2899	57	817-873					1005	353	3823-4175					
			3168	49	2509-2557					1036	326	1748-2073					
			3573	36	781-816					1071	281	3261-3541					
			3700	35	2465-2499					1130	279	4176-4454					
			3701	24	757-780					1226	251	2466-2716					
			3803	9	2500-2508					1748	224	781-1004					
			3804	1	3700-3700					2074	166	4455-4620					
			4494	1	3803-3803					2466	131	3575-3705					
										2717	120	4639-47					
										3261	96	1130-1225					
										3542	59	1071-1129					
										3574	55	726-780					
BsaWI		6	599	1390	1377-2766												
W CCGGW			1377	862	4448-598												
			2767	844	2767-3610												
			3611	778	599-1376												
			4301	690	3611-4300												
			4448	147	4301-4447												
Bsc4 I		26	47	677	47-723												
CCNNNN NNGG			724	544	2716-3259												
			725	522	1225-1746												
			780	392	2073-2464												
			1004	353	3822-4174												
			1035	326	1747-2072												
			1070	281	3260-3540												

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		3575	50	3741-3790	BsrDI	1	2969	4711	2969-2968
		3706	35	1036-1070	GCAATGNN				
		3741	35	3706-3740	CATTGC				
		3791	32	3542-3573					
		3792	31	1005-1035	BsrFI	5	599	1791	3519-598
		3823	31	3792-3822	R CCGGY		1953	1354	599-1952
		4176	18	4621-4638			3055	1102	1953-3054
		4455	1	725-725			3236	283	3236-3518
		4621	1	3574-3574			3519	181	3055-3235
		4639	1	3791-3791					
BsmFI	12	174	1454	798-2251	Bsrl	10	294	1246	2881-4126
GGGACNNNNNNNNNN ...325			1202	3683-173	ACTGGN		800	959	806-1764
NNNNNNNNNNNNNG...493			532	2887-3418	C CAGT		806	753	4252-293
		779	499	2388-2886			1765	678	1765-2442
		798	286	493-778			2443	506	294-799
		2252	168	325-492			2680	237	2443-2679
		2324	155	3528-3682			2881	201	2680-2880
		2388	151	174-324			4127	112	4127-4238
		2887	109	3419-3527			4239	13	4239-4251
		3419	72	2252-2323			4252	6	800-805
		3528	64	2324-2387	BssKI	19	87	1092	1178-2269
		3683	19	779-797	CCNGG		280	500	280-779
BsmI	2	1487	4618	1580-1486			780	472	3803-4274
GAATGCN		1580	93	1487-1579			934	396	2342-2737
G CATTC							1129	390	3121-3510
Bsp1286 I	9	672	1255	672-1926			1178	223	2898-3120
GDGCH C		1927	1039	4344-671			2270	218	4275-4492
		2682	755	1927-2681			2325	195	934-1128
		2775	710	3101-3810			2342	193	87-279
		2849	533	3811-4343			2738	189	3511-3699
		3039	190	2849-3038			2898	171	4627-86
		3101	93	2682-2774			3121	160	2738-2897
		3811	74	2775-2848			3511	154	780-933
		4344	62	3039-3100			3700	121	4506-4626
BspHI	2	2162	2939	3934-2161			3803	103	3700-3802
T CATGA		3934	1772	2162-3933			4275	55	2270-2324
							4493	49	1129-1177
							4506	17	2325-2341
							4627	13	4493-4505
BspLU11 I	1	4654	4711	4654-4653	BssSI	4	684	2644	684-3327
A CATGT					C ACGAG		3328	1027	3454-4480
BspMI	3	2623	3880	3454-2622	C TCGTG		3454	914	4481-683
ACCTGCNNNN		3004	450	3004-3453			4481	126	3328-3453
NNNNNNNNGCAGGT ...3454			381	2623-3003	BstBI	1	3418	4711	3418-3417
					TT CGAA				
BsrBI	4	1996	3304	3403-1995	BstEII	1	752	4711	752-751
GAG CGG		2160	1189	2160-3348	G GTNACC				
CCG CTC		3349	164	1996-2159					
		3403	54	3349-3402	BstF5 I	7	787	1966	3532-786

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>		
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends	
GGATGNN   CATCC		844		1578	844-2421			3916		12	3904-3915	
		2422		457	2596-3052			4002		11	4002-4012	
		2596		454	3078-3531			4013		9	1371-1379	
		3053		174	2422-2595							
		3078		57	787-843			Bsu36 I	2	2216	3079	3848-2215
		3532		25	3053-3077			CC TNAGG		3848	1632	2216-3847
BstNI CC WGG	14	89		1141	1131-2271			Cac8 I	29	85	878	1077-1954
		282		779	2344-3122			GCN NGC		278	560	4044-4603
		782		690	3805-4494					592	485	592-1076
		936		579	3123-3701					1077	314	278-591
		1131		500	282-781					1955	283	3238-3520
		2272		195	936-1130					1998	273	2012-2284
		2327		193	89-281					2012	254	2376-2629
		2344		171	4629-88					2285	219	2816-3034
		3123		154	782-935					2304	211	3833-4043
		3702		121	4508-4628					2357	193	85-277
		3805		103	3702-3804					2376	187	3521-3707
		4495		55	2272-2326					2630	186	2630-2815
		4508		17	2327-2343					2816	155	4641-84
		4629		13	4495-4507					3035	66	3035-3100
BstUI CG CG	17	59		836	59-894					3101	56	3755-3810
		895		691	2111-2801					3107	54	3184-3237
		1069		581	4030-4610					3135	53	2304-2356
		1624		555	1069-1623					3139	47	3708-3754
		1660		438	3103-3540					3180	43	1955-1997
		2036		376	1660-2035					3184	41	3139-3179
		2056		301	2802-3102					3238	37	4604-4640
		2080		273	3757-4029					3521	28	3107-3134
		2111		174	895-1068					3708	22	3811-3832
		2802		159	4611-58					3755	19	2357-2375
		3103		84	3541-3624					3811	19	2285-2303
		3541		69	3688-3756					3833	14	1998-2011
		3625		63	3625-3687					4044	6	3101-3106
		3688		36	1624-1659					4604	4	3180-3183
		3757		31	2080-2110					4641	4	3135-3138
		4030		24	2056-2079							
		4611		20	2036-2055			Clal	1	2576	4711	2576-2575
							AT CGAT					
BstXI CCANNNNN NTGG	1	1154		4711	1154-1153			Csp6 I	11	217	1887	3041-216
								G TAC		242	1791	1250-3040
BstYI R GATCY	13	584		1527	1380-2906					297	271	538-808
		1287		1282	4013-583					330	237	824-1060
		1322		703	584-1286					381	189	1061-1249
		1346		392	3153-3544					538	157	381-537
		1371		359	3545-3903					809	55	242-296
		1380		246	2907-3152					824	51	330-380
		2907		86	3916-4001					1061	33	297-329
		3153		35	1287-1321					1250	25	217-241
		3545		25	1346-1370					3041	15	809-823
		3904		24	1322-1345							
								CviJ I	94	41	289	276-564

	<u>Sites</u>			<u>Fragments</u>				
	Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends
RG CY	83	281	1953-2233	2818	23	3277-3299		
	92	251	3846-4096	2842	23	2522-2544		
	276	184	92-275	2880	22	1183-1204		
	565	180	3316-3495	2956	20	1682-1701		
	615	167	1515-1681	2973	20	746-765		
	682	142	1702-1843	2992	19	3816-3834		
	715	123	2347-2469	3055	19	2973-2991		
	730	122	3584-3705	3099	18	4614-4631		
	746	110	1405-1514	3109	17	2956-2972		
	766	109	1296-1404	3126	17	863-879		
	814	109	4643-40	3209	17	2644-2660		
	863	98	4490-4587	3236	17	3109-3125		
	880	90	4400-4489	3240	16	3300-3315		
	958	84	2721-2804	3277	16	730-745		
	1009	83	3126-3208	3300	15	715-729		
	1036	81	2563-2643	3316	14	1109-1122		
	1044	81	1844-1924	3496	14	1939-1952		
	1101	79	4245-4323	3523	14	1925-1938		
	1109	78	880-957	3584	12	2545-2556		
	1123	76	2880-2955	3706	11	4632-4642		
	1158	72	2275-2346	3745	11	3835-3845		
	1166	67	615-681	3802	11	4169-4179		
	1175	65	4180-4244	3809	10	3099-3108		
	1183	63	2992-3054	3816	9	2805-2813		
	1205	62	1205-1266	3835	9	1166-1174		
	1267	61	3523-3583	3846	9	83-91		
	1296	57	3745-3801	4097	9	2505-2513		
	1405	57	1044-1100	4126	8	2514-2521		
	1515	51	958-1008	4169	8	2661-2668		
	1682	50	565-614	4180	8	1158-1165		
	1702	49	814-862	4245	8	1036-1043		
	1844	48	766-813	4324	8	1101-1108		
	1925	46	4354-4399	4349	8	1175-1182		
	1939	44	3055-3098	4354	7	3809-3815		
	1953	43	4126-4168	4400	7	3802-3808		
	2234	42	41-82	4490	6	2499-2504		
	2275	41	2234-2274	4588	6	2557-2562		
	2347	39	3706-3744	4614	5	4349-4353		
	2470	38	2842-2879	4632	4	3236-3239		
	2499	37	3240-3276	4643	4	2814-2817		
	2505	35	1123-1157					
	2514	33	682-714	Ddel	7	1284	1615	4380-1283
	2522	29	4097-4125	C TNAG		2216	932	1284-2215
2545	29	1267-1295			2518	881	2518-3398	
2557	29	2470-2498			3399	449	3399-3847	
2563	27	1009-1035			3848	409	3971-4379	
2644	27	2669-2695			3971	302	2216-2517	
2661	27	3209-3235			4380	123	3848-3970	
2669	27	3496-3522						
2696	26	4588-4613	Dpnl	25	586	1207	4090-585	
2721	25	4324-4348	GA TC		696	1180	1395-2574	
2805	25	2696-2720			1289	593	696-1288	
2814	24	2818-2841			1300	376	3155-3530	

		<u>Sites</u>			<u>Fragments</u>		
		Number	Position	Length	Ends		
			1324	359	3547-3905		
			1348	311	2598-2908		
			1373	110	586-695		
			1382	81	2987-3067		
			1395	78	3077-3154		
			2575	78	2909-2986		
			2579	78	3918-3995		
			2598	75	4015-4089		
			2909	25	1348-1372		
			2987	24	1300-1323		
			3068	24	1324-1347		
			3077	19	2579-2597		
			3155	16	3531-3546		
			3531	13	1382-1394		
			3547	12	3906-3917		
			3906	11	1289-1299		
			3918	11	4004-4014		
			3996	9	1373-1381		
			4004	9	3068-3076		
			4015	8	3996-4003		
			4090	4	2575-2578		
Dral	3	1438	2442	1438-3879			
TTT AAA		3880	2250	3899-1437			
		3899	19	3880-3898			
Drall	1	1852	4711	1852-1851			
CACNNN GTG							
Drdl	3	1807	1966	4552-1806			
GACNNNN NNGTC		2763	1789	2763-4551			
		4552	956	1807-2762			
Dsal	5	359	1902	3168-358			
C CRYGG		610	1435	1030-2464			
		1030	703	2465-3167			
		2465	420	610-1029			
		3168	251	359-609			
Eael	7	680	2157	3234-679			
Y GGCCR		1121	1486	1156-2641			
		1156	441	680-1120			
		2642	391	2816-3206			
		2816	174	2642-2815			
		3207	35	1121-1155			
		3234	27	3207-3233			
Eagl	1	2642	4711	2642-2641			
C GGCCG							
Earl	6	1305	2726	3290-1304			
CTCTTCN		1329	877	2203-3079			
NNNNGAAGAG		1353	850	1353-2202			
			2203	210	3080-3289		
			3080	24	1305-1328		
			3290	24	1329-1352		
Eco47 III	1	595	4711	595-594			
AGC GCT							
Eco57 I	7	768	1751	1131-2881			
CTGAAGNNNNNNNNNNM.	101	1367	4112	767			
NNNNNNNNNNNNNNNC.	1125	798	3314	4111			
		1131	432	2882-3313			
		2882	333	768-1100			
		3314	24	1101-1124			
		4112	6	1125-1130			
EcoO109 I	2	1100	2734	1100-3833			
RG GNCCY		3834	1977	3834-1099			
EcoRII	14	87	1141	1129-2269			
CCWGG		280	779	2342-3120			
		780	690	3803-4492			
		934	579	3121-3699			
		1129	500	280-779			
		2270	195	934-1128			
		2325	193	87-279			
		2342	171	4627-86			
		3121	154	780-933			
		3700	121	4506-4626			
		3803	103	3700-3802			
		4493	55	2270-2324			
		4506	17	2325-2341			
		4627	13	4493-4505			
Ehel	1	2737	4711	2737-2736			
GGC GCC							
FauI	15	92	1041	3762-91			
CCC GCNNNN		118	915	1074-1988			
NNNNNNGCGGG		285	560	285-844			
		845	537	2859-3395			
		1074	425	2434-2858			
		1989	355	2058-2412			
		2058	229	845-1073			
		2413	167	118-284			
		2434	138	3396-3533			
		2859	96	3534-3629			
		3396	81	3681-3761			
		3534	69	1989-2057			
		3630	51	3630-3680			
		3681	26	92-117			
		3762	21	2413-2433			
Fnu4HI	36	716	815	4612-715			

	Sites		Fragments			Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
Gc NGC		764	519	1513-2031	HaeIII GG CC	30	83	655	1844-2498
		917	438	2068-2505			276	509	3236-3744
		959	339	3475-3813			615	435	1267-1701
		1121	245	1268-1512			682	434	4180-4613
		1173	236	2974-3209			715	391	2818-3208
		1176	211	3829-4039			730	345	3835-4179
		1268	206	4040-4245			766	339	276-614
		1513	162	959-1120			1009	243	766-1008
		2032	155	4457-4611			1044	193	83-275
		2054	153	764-916			1101	174	2644-2817
		2068	143	4314-4456			1123	151	4643-82
		2506	139	2506-2644			1158	142	1702-1843
		2645	114	3361-3474			1267	109	1158-1266
		2697	96	3210-3305			1702	87	2557-2643
		2708	92	1176-1267			1844	67	615-681
		2798	90	2708-2797			2499	57	3745-3801
		2803	87	2881-2967			2505	57	1044-1100
		2840	65	4249-4313			2514	43	2514-2556
		2881	52	1121-1172			2557	36	730-765
		2968	52	2645-2696			2644	35	1009-1043
		2971	48	716-763			2818	35	1123-1157
		2974	42	917-958			3209	33	682-714
		3210	41	3306-3346			3236	33	3802-3834
		3306	41	2840-2880			3745	27	3209-3235
		3347	37	2803-2839			3802	22	1101-1122
		3361	22	2032-2053			3835	18	4614-4631
		3475	15	3814-3828			4180	15	715-729
		3814	14	2054-2067			4614	11	4632-4642
		3829	14	3347-3360			4632	9	2505-2513
		4040	11	2697-2707			4643	6	2499-2504
		4246	5	2798-2802					
		4249	3	1173-1175					
		4314	3	2971-2973					
	4457	3	2968-2970						
	4612	3	4246-4248						
FokI GGATGNNNNNNNN ...  NNNNNNNNNNNNNCA	7	774	1946	3539-773	HgaI	7	525	1377	2069-3445
		831	1578	831-2408	GACGCNNNNN		1206	863	1206-2068
		2409	457	2603-3059	NNNNNNNNNNNGCGTC		2069	694	4542-524
		2603	454	3085-3538			3446	681	525-1205
		3060	194	2409-2602			3525	578	3964-4541
FspI TGC GCA	2	660	2533	2838-659			3964	439	3525-3963
		2838	2178	660-2837			4542	79	3446-3524
HaeII RGCG Y	6	597	1675	2739-4413	HhaI	26	596	827	4480-595
		1058	945	1058-2002	GCG C		649	744	1258-2001
		2003	894	4414-596			661	619	2111-2729
		2011	728	2011-2738			895	403	3627-4029
		2739	461	597-1057			1057	266	2839-3104
		4414	8	2003-2010			1258	260	3105-3364
							2002	234	661-894
							2010	201	1057-1257
						2036	176	3365-3540	
						2058	174	4139-4312	
						2067	162	895-1056	
						2080	109	4030-4138	
						2111	100	4313-4412	



					Sites					Fragments							
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			2730	86	3541-3626				3502	52	3355-3406				4284	37	3465-3501
			2738	67	4413-4479				4680	22	1779-1800						
			2802	64	2738-2801			Hpal									
			2839	53	596-648			GTT AAC									
			3105	37	2802-2838			1	1499	4711	1499-1498						
			3365	31	2080-2110			Hpal									
			3541	26	2010-2035			C CGG									
			3627	22	2036-2057			19	600	862	4449-599						
			4030	13	2067-2079				1180	687	1954-2640						
			4139	12	649-660				1378	580	600-1179						
			4313	9	2058-2066				1954	576	1378-1953						
			4413	8	2730-2737				2641	474	3612-4085						
			4480	8	2002-2009				2718	275	3237-3511						
									2740	198	1180-1377						
									2768	190	4086-4275						
									2899	181	3056-3236						
									2989	147	4302-4448						
									3056	131	2768-2898						
									3237	92	3520-3611						
									3512	90	2899-2988						
									3520	77	2641-2717						
									3612	67	2989-3055						
									4086	28	2740-2767						
									4276	26	4276-4301						
									4302	22	2718-2739						
									4449	8	3512-3519						
								HphI									
								GGTGANNNNNNNN									
								NNNNNNNTCACC									
								9	375	1163	3923-374						
									626	1061	1853-2913						
									764	893	2914-3806						
									986	648	1205-1852						
									1205	251	375-625						
									1853	222	764-985						
									2914	219	986-1204						
									3807	138	626-763						
									3923	116	3807-3922						
								KasI									
								G CGCC									
								1	2735	4711	2735-2734						
								MaeII									
								A CGT									
								17	121	891	1961-2851						
									133	879	3953-120						
									174	781	3039-3819						
									257	604	1192-1795						
									338	366	826-1191						
									443	198	628-825						
									628	187	2852-3038						
									826	185	443-627						
									1192	133	3820-3952						
									1796	110	1851-1960						
									1808	105	338-442						
									1851	83	174-256						
									1961	81	257-337						
								HinP1 I									
								G CGC									
		26	594	827	4478-593												
			647	744	1256-1999												
			659	619	2109-2727												
			893	403	3625-4027												
			1055	266	2837-3102												
			1256	260	3103-3362												
			2000	234	659-892												
			2008	201	1055-1255												
			2034	176	3363-3538												
			2056	174	4137-4310												
			2065	162	893-1054												
			2078	109	4028-4136												
			2109	100	4311-4410												
			2728	86	3539-3624												
			2736	67	4411-4477												
			2800	64	2736-2799												
			2837	53	594-646												
			3103	37	2800-2836												
			3363	31	2078-2108												
			3539	26	2008-2033												
			3625	22	2034-2055												
			4028	13	2065-2077												
			4137	12	647-658												
			4311	9	2056-2064												
			4411	8	2728-2735												
			4478	8	2000-2007												
								HincII									
								GTY RAC									
		1	1499	4711	1499-1498												
								HinfI									
								G ANTC									
		12	409	1010	2211-3220												
			939	840	939-1778												
			1779	782	3502-4283												
			1801	530	409-938												
			2211	440	4680-408												
			3221	410	1801-2210												
			3355	396	4284-4679												
			3407	134	3221-3354												
			3465	58	3407-3464												

Sites					Fragments			Sites					Fragments									
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends					
			2852	43	1808-1850				1034	150	719-868				1034	150	719-868					
			3039	41	133-173				1055	136	2651-2786				1055	136	2651-2786					
			3820	12	121-132				1220	86	540-625				1220	86	540-625					
			3953	12	1796-1807				1226	74	4477-4550				1226	74	4477-4550					
MaeIII  GTNAC	14	60	819	2037-2855				1256	64	2587-2650				1256	64	2587-2650						
		147	690	3162-3851				1415	57	953-1009				1415	57	953-1009						
		496	595	929-1523				1455	51	902-952				1455	51	902-952						
		752	501	1524-2024				1464	40	2547-2586				1464	40	2547-2586						
		929	474	4297-59				1880	40	1415-1454				1880	40	1415-1454						
		1524	349	147-495				2211	33	869-901				2211	33	869-901						
		2025	306	2856-3161				2489	33	659-691				2489	33	659-691						
		2037	266	3852-4117				2495	31	3543-3573				2495	31	3543-3573						
		2856	256	496-751				2519	30	629-658				2519	30	629-658						
		3162	177	752-928				2525	30	1226-1255				2525	30	1226-1255						
		3852	116	4118-4233				2532	24	2495-2518				2532	24	2495-2518						
		4118	87	60-146				2535	24	1010-1033				2535	24	1010-1033						
		4234	63	4234-4296				2547	21	1034-1054				2547	21	1034-1054						
		4297	12	2025-2036				2587	15	704-718				2587	15	704-718						
MboII GAAGANNNNNNNN   NNNNNNNTCTTC	14	1034	1748	3997-1033				2651	12	2535-2546				2651	12	2535-2546						
		1037	877	2220-3096				2787	9	1455-1463				2787	9	1455-1463						
		1322	622	1370-1991				3144	7	2525-2531				3144	7	2525-2531						
		1346	285	1037-1321				3337	6	692-697				3337	6	692-697						
		1370	228	1992-2219				3543	6	1220-1225				3543	6	1220-1225						
		1992	210	3097-3306				3574	6	2519-2524				3574	6	2519-2524						
		2220	200	3554-3753				3857	6	698-703				3857	6	698-703						
		3097	172	3754-3925				4227	6	2489-2494				4227	6	2489-2494						
		3307	167	3387-3553				4477	3	626-628				4477	3	626-628						
		3387	80	3307-3386				4551	3	2532-2534				4551	3	2532-2534						
		3554	71	3926-3996				MscI TGG CCA			2	1158	3051	2818-1157				2818	1660	1158-2817		
		3754	24	1346-1369				MseI T TAA			15	6	1819	2060-3878				6	1819	2060-3878		
		3926	24	1322-1345				1437	1431	6-1436			1498	767	3950-5				1437	1431	6-1436	
		3997	3	1034-1036				1498	767	3950-5			1619	271	1789-2059				1498	767	3950-5	
						1619	271	1789-2059		1640		121	1498-1618				1619	271	1789-2059			
						1640	121	1498-1618		1651		98	1691-1788				1640	121	1498-1618			
						1651	98	1691-1788		1663		61	1437-1497				1651	98	1691-1788			
						1663	61	1437-1497		1674		52	3898-3949				1663	61	1437-1497			
						1674	52	3898-3949		1691		21	1619-1639				1674	52	3898-3949			
						1691	21	1619-1639		1789		17	1674-1690				1691	21	1619-1639			
						1789	17	1674-1690		2060		14	3879-3892				1789	17	1674-1690			
						2060	14	3879-3892		3879	12	1651-1662				2060	14	3879-3892				
						3879	12	1651-1662		3893	11	1640-1650				3879	12	1651-1662				
						3893	11	1640-1650		3898	11	1663-1673				3893	11	1640-1650				
						3898	11	1663-1673		3950	5	3893-3897				3898	11	1663-1673				
						3950	5	3893-3897		Msl I CAYNN NNRTG			5	364	1934	1239-3172				364	1934	1239-3172
						Msl I CAYNN NNRTG			5	987	1902	3173-363				987	1902	3173-363				
						1152	623	364-986		1239	165	987-1151				1152	623	364-986				
						1239	165	987-1151		3173	87	1152-1238				1239	165	987-1151				
						3173	87	1152-1238														

	Sites		Fragments			Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
MspA1 I CMG CKG	5	1175	1570	4316-1174					
		2234	1229	2842-4070	NcoI	5	359	1902	3168-358
		2842	1059	1175-2233	C CATGG		610	1435	1030-2464
		4071	608	2234-2841			1030	703	2465-3167
		4316	245	4071-4315			2465	420	610-1029
							3168	251	359-609
MwoI	34	89	699	1264-1962	NdeI	1	233	4711	233-232
GCNNNNN NNGC		211	572	4036-4607	CA TATG				
		243	457	715-1171					
		282	267	3179-3445	NgoMI	3	1953	3145	3519-1952
		375	239	2064-2302	G CCGGC		3236	1283	1953-3235
		399	216	2511-2726			3519	283	3236-3518
		612	213	399-611					
		667	204	3633-3836	NheI	1	590	4711	590-589
		715	199	3837-4035	G CTAGC				
		1172	192	4608-88					
		1253	187	3446-3632	NlaIII	21	303	1009	1157-2165
		1264	139	2834-2972	CATG		363	720	3938-4657
		1963	122	89-210			614	384	3554-3937
		1993	117	2979-3095			647	369	665-1033
		2020	93	282-374			665	356	3198-3553
		2062	84	2727-2810			1034	345	2610-2954
		2064	83	3096-3178			1157	301	2-302
		2303	81	1172-1252			2166	251	363-613
		2375	79	2426-2504			2306	186	2955-3140
		2426	72	2303-2374			2378	141	2469-2609
		2505	55	612-666			2469	140	2166-2305
		2511	51	2375-2425			2610	123	1034-1156
		2727	48	667-714			2955	91	2378-2468
		2811	42	2020-2061			3141	72	2306-2377
		2834	39	243-281			3172	60	303-362
		2973	32	211-242			3198	51	4658-4708
		2979	30	1963-1992			3554	33	614-646
		3096	27	1993-2019			3938	31	3141-3171
		3179	24	375-398			4658	26	3172-3197
		3446	23	2811-2833			4709	18	647-664
		3633	11	1253-1263			2	4	4709-1
		3837	6	2505-2510	NlaIV	19	466	848	2772-3619
		4036	6	2973-2978	GGN NCC		671	843	3744-4586
		4608	2	2062-2063			767	551	4626-465
NaeI	3	1955	3145	3521-1954			815	518	1373-1890
GCC GGC		3238	1283	1955-3237			1010	389	2348-2736
		3521	283	3238-3520			1373	363	1010-1372
NarI	1	2736	4711	2736-2735			1891	205	466-670
GG GCC							1912	195	815-1009
							1924	191	1924-2114
NciI	5	1180	1614	4277-1179			2115	161	2115-2275
CC SGG		2740	1560	1180-2739			2276	96	671-766
		2900	764	3513-4276			2348	79	3620-3698
		3513	613	2900-3512			2737	72	2276-2347



Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		2327	195	936-1130	Styl	9	359	1497	3573-358
		2344	193	89-281	Q CWGG		610	1435	1030-2464
		2740	189	3513-3701			757	610	2558-3167
		2900	171	4629-88			817	405	3168-3572
		3123	160	2740-2899			1030	251	359-609
		3513	154	782-935			2465	213	817-1029
		3702	121	4508-4628			2558	147	610-756
		3805	103	3702-3804			3168	93	2465-2557
		4277	55	2272-2326			3573	60	757-816
		4495	49	1131-1179	Tail	17	124	891	1964-2854
		4508	17	2327-2343	ACGT		136	879	3956-123
		4629	13	4495-4507			177	781	3042-3822
SexAI	2	1129	3515	2325-1128			260	604	1195-1798
A CCWGGT		2325	1196	1129-2324			341	366	829-1194
SfaNI	12	356	1183	3374-4556			446	198	631-828
GCATC NNNNN		1006	763	1552-2314			631	187	2855-3041
NNNNNNNNNGATGC ...	1552	650	356	1005			829	185	446-630
	2315	546	1006	1551			1195	133	3823-3955
	2387	510	4557	355			1799	110	1854-1963
	2694	307	2387	2693			1811	105	341-445
	2949	255	2694	2948			1854	83	177-259
	3035	209	3165	3373			1964	81	260-340
	3099	86	2949	3034			2855	43	1811-1853
	3165	72	2315	2386			3042	41	136-176
	3374	66	3099	3164			3823	12	124-135
	4557	64	3035	3098			3956	12	1799-1810
Sfcl	4	948	2127	2071-4197	TaqI	15	691	846	4556-690
C TRYAG		2071	1270	4389-947	T CGA		697	838	3718-4555
		4198	1123	948-2070			907	691	1885-2575
		4389	191	4198-4388			1292	593	1292-1884
Sfil	1	2511	4711	2511-2510			1885	385	907-1291
GGCC NNNN NGGCC							2576	273	2576-2848
SnaBI	1	339	4711	339-338			2849	255	3463-3717
TAC GTA							3005	210	697-906
SphI	3	2306	3876	3141-2305			3029	191	3227-3417
GCATG C		2378	763	2378-3140			3065	162	3065-3226
		3141	72	2306-2377			3227	156	2849-3004
Sse8387 I	1	952	4711	952-951			3418	45	3418-3462
CCTGCA GG							3463	36	3029-3064
Sspl	2	1644	4158	2197-1643			3718	24	3005-3028
AAT ATT		2197	553	1644-2196			4556	6	691-696
StuI	2	1044	3198	2557-1043	TfII	5	3221	3252	4680-3220
AGG CCT		2557	1513	1044-2556	G AWTC		3355	1178	3502-4679
							3465	134	3221-3354
							3502	110	3355-3464
							4680	37	3465-3501
					TseI	16	958	1356	4313-957
					G CWGC		1172	665	2031-2695
							1175	519	1512-2030

	<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
	Number	Position	Length	Ends
		1512	453	3360-3812
		2031	387	2973-3359
		2696	337	1175-1511
		2797	226	3813-4038
		2839	214	958-1171
		2880	206	4039-4244
		2973	101	2696-2796
		3360	93	2880-2972
		3813	65	4248-4312
		4039	42	2797-2838
		4245	41	2839-2879
		4248	3	1172-1174
		4313	3	4245-4247
<hr/>				
Tsp45 I	5	752	2301	3162-751
GTSAC		929	1096	929-2024
		2025	831	2025-2855
		2856	306	2856-3161
		3162	177	752-928
<hr/>				
Tsp509 I	10	17	1469	17-1485
AATT		1486	1418	2476-3893
		1550	834	3894-16
		1628	647	1665-2311
		1654	92	2384-2475
		1665	78	1550-1627
		2312	72	2312-2383
		2384	64	1486-1549
		2476	26	1628-1653
	3894	11	1654-1664	
<hr/>				
TspRI	5	1582	2034	4259-1581
CAGTGNN		2865	1283	1582-2864
CACTGNN		3975	1110	2865-3974
		4246	271	3975-4245
		4259	13	4246-4258
<hr/>				
Tth111 I	1	2854	4711	2854-2853
GACN NNGTC				
<hr/>				
XbaI	1	1383	4711	1383-1382
T CTAGA				
<hr/>				
XhoI	1	1291	4711	1291-1290
C TCGAG				

The following restriction enzymes do not cut pDsRed2-Nuc:

AccI, Afl II, ApaI, AscI, Asp718 I, BcgI, BcgI, BlpI, BsiWI, BsmBI,

Bsp120 I, BspEI, BsrGI, BssHII, Bst1107 I, Ecl136 II, EcoNI, EcoRI,  
EcoRV, FseI,

HindIII, KpnI, NotI, NruI, PacI, PmeI, Pml I, PpuMI, PshAI, Psp1406 I,

PvuI, SacI, SacII, Sal I, ScaI, SgfI, SgrAI, SmaI, SpeI, SrfI,

SwaI, XcmI, XmaI, XmnI.