

Sites Number Position Length Ends					Sites Number Position Length Ends					
AatII GACGT C	4	126	4447	448-125			3379	26	3379-3404	
		179	186	262-447			3405	21	508-528	
		262	83	179-261			3461	19	4495-4513	
		448	53	126-178			3530	16	3363-3378	
AccI GT MKAC	1	1409	4769	1409-1408			3533	14	2112-2125	
							3599	14	99-112	
AclI C CGC G CGG	64	59	634	1420-2053			3681	12	2485-2496	
		87	274	590-863			3746	12	87-98	
		99	240	3028-3267			3813	12	2464-2475	
		113	234	3886-4119			3886	11	2507-2517	
		280	185	2279-2463			4120	10	2497-2506	
		371	167	113-279			4129	9	2476-2484	
		404	139	2564-2702			4264	9	4120-4128	
		508	138	1011-1148			4374	5	3308-3312	
		529	135	4129-4263			4495	3	3530-3532	
		590	127	4514-4640			4514	3	2109-2111	
		864	121	4374-4494			4641	3	3025-3027	
		905	113	1149-1261			4669	3	1322-1324	
		972	110	4264-4373			4760	2	1418-1419	
		1011	104	404-507		Afl II C TTAAG	1	1676	4769	1676-1675
		1149	101	2924-3024						
		1262	94	2766-2859		Afl III A CRYGT	1	4712	4769	4712-4711
		1322	93	1325-1417						
		1325	91	280-370		AluI AG CT	24	567	797	3358-4154
		1418	91	4669-4759				666	788	4548-566
		1420	82	3599-3680				699	458	2900-3357
		2054	73	3813-3885				771	320	2580-2899
		2081	69	3461-3529				804	295	1997-2291
		2109	68	4760-58				1020	288	2292-2579
		2112	67	905-971				1068	257	4155-4411
		2126	67	3746-3812				1179	257	1740-1996
		2169	66	3533-3598				1253	216	804-1019
		2216	65	3681-3745				1353	180	1393-1572
		2279	64	2860-2923				1371	167	1573-1739
		2464	63	2216-2278				1387	111	1068-1178
		2476	63	2703-2765				1393	100	1253-1352
		2485	61	529-589				1573	99	567-665
		2497	60	1262-1321				1740	90	4458-4547
		2507	56	3405-3460				1997	74	1179-1252
		2518	50	3313-3362				2292	72	699-770
		2564	47	2169-2215				2580	48	1020-1067
		2703	46	2518-2563				2900	46	4412-4457
		2766	43	2126-2168				3358	33	666-698
		2860	41	864-904				4155	33	771-803
		2924	40	3268-3307				4412	18	1353-1370
		3025	39	972-1010				4458	16	1371-1386
		3028	33	371-403				4548	6	1387-1392
		3268	28	4641-4668						
		3308	28	59-86						
		3313	28	2081-2108		Alw26 I GTCTCN	5	435	1783	435-2217
		3363	27	2054-2080				2218	1421	3783-434

Sites					Fragments						
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
NNNNNGAGAC						2636	1019	2636-3654			
						3655	418	2218-2635			
						3783	128	3655-3782			
AlwI	17	581	1216	1446-2661							
GGATCNNNN		1140	1196	4154-580							
NNNNNGATCC		1339	559	581-1139							
		1424	363	3219-3581							
		1437	358	3611-3968							
		1446	311	2662-2972							
		2662	199	1140-1338							
		2973	181	3038-3218							
		3038	96	3970-4065							
		3219	86	4068-4153							
		3582	85	1339-1423							
		3611	65	2973-3037							
		3969	29	3582-3610							
		3970	13	1424-1436							
		4066	9	1437-1445							
		4068	2	4066-4067							
		4154	1	3969-3969							
AlwNI	2	3895	4361	4303-3894							
CAGNNN CTG		4303	408	3895-4302							
ApaI	1	1426	4769	1426-1425							
GGGC C											
ApaLI	1	4398	4769	4398-4397							
G TGCAC											
ApoI	4	1398	4444	1723-1397							
R AATTY		1608	210	1398-1607							
		1712	104	1608-1711							
		1723	11	1712-1722							
AseI	1	8	4769	8-7							
AT TAAT											
Asp718 I	1	1414	4769	1414-1413							
G GTACC											
AvaI	2	1382	4726	1425-1381							
C YCGRG		1425	43	1382-1424							
AvaII	3	1302	2316	3755-1301							
G GWCC		3310	2008	1302-3309							
		3755	445	3310-3754							
AvrII	2	2616	3754	3631-2615							
C CTAGG		3631	1015	2616-3630							
BamHI	1	1429	4769	1429-1428							

Sites					Fragments						
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
G GATCC											
BanI	6	466	2407	2828-465							
G GYRCC		681	846	1947-2792							
		1414	733	681-1413							
		1947	533	1414-1946							
		2793	215	466-680							
		2828	35	2793-2827							
BanII	5	1389	2289	3869-1388							
GRGCI		1426	1174	1985-3158							
		1985	710	3159-3868							
		3159	559	1426-1984							
		3869	37	1389-1425							
BbeI	1	2797	4769	2797-2796							
GGCGC C											
BbvI	21	587	973	4383-586							
GCAGCNNNNNNNN		605	665	2076-2740							
NNNNNNNNNNNGCT...		791	494	1582-2075							
		897	453	3430-3882							
		1181	412	3018-3429							
		1188	365	1217-1581							
		1214	284	897-1180							
		1217	206	4084-4289							
		1582	201	3883-4083							
		2076	186	605-790							
		2741	126	2741-2866							
		2867	106	791-896							
		2909	93	2925-3017							
		2925	90	4293-4382							
		3018	42	2867-2908							
		3430	26	1188-1213							
		3883	18	587-604							
		4084	16	2909-2924							
		4290	7	1181-1187							
		4293	3	4290-4292							
		4383	3	1214-1216							
BcgI	1	736	4769	736-735							
GCANNNNNNTCGNNNN...											
NNNNNNNNNNNCGANN...											
BcgI	1	770	4769	770-769							
CGANNNNNNTGCNNNN...											
NNNNNNNNNNNGCANN...											
Bcl I	1	1451	4769	1451-1450							
T GATCA											
BfaI	8	593	1143	4219-592							
C TAG		1442	1015	2617-3631							

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		1643	849	593-1441			2567	72	2328-2399
		2061	556	2061-2616			2616	55	1001-1055
		2617	418	1643-2060			2957	49	2567-2615
		3632	334	3632-3965			3226	44	630-673
		3966	253	3966-4218			3631	35	2523-2557
		4219	201	1442-1642			3758	24	977-1000
Bgl I GCCNNNN NGGC							3759	9	2558-2566
							3861	7	1418-1424
							3862	1	3758-3758
							4552	1	3861-3861
Bgl II A GATCT							1435	1698	4506-1434
							2825	1390	1435-2824
							3669	844	2825-3668
							4359	690	3669-4358
							4506	147	4359-4505
BpmI CTGGAGNNNNNNNNNN1330 NNNNNNNNNNNNNNNC3577 3634							49	586	49-634
							635	544	2774-3317
							814	478	1327-1804
							977	392	2131-2522
							1327	353	3880-4232
BsaAI YAC GTR							1805	350	977-1326
							2131	326	1805-2130
							2523	281	3318-3598
							2774	279	4233-4511
							3318	251	2523-2773
BsaBI GATNN NNATC							3599	179	635-813
							3631	166	4512-4677
							3632	163	814-976
							3763	131	3632-3762
							3798	122	4696-48
BsaHI GR CGYC							3848	50	3798-3847
							3849	35	3763-3797
							3880	32	3599-3630
							4233	31	3849-3879
							4512	18	4678-4695
BsaI GGTCTCN NNNNNGAGACC							4678	1	3631-3631
							4696	1	3848-3848
							619	2776	2612-618
							676	1936	676-2611
BsaJI C CNGG							2612	57	619-675
							774	4348	1195-773
							195	421	774-1194
							2703	3094	4378-2702
BseRI GAGGAGNNNNNNNNNN676 NNNNNNNNNCTCCTC ...2612							4378	1675	2703-4377
							1389	1756	4402-1388
							2907	1518	1389-2906

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		3097	1305	3097-4401			3097	93	2740-2832
		4402	190	2907-3096			3159	74	2833-2906
BsII	22	50	586	50-635					
CCNNNNN NNGG									
		636	544	2775-3318					
		815	478	1328-1805					
		978	392	2132-2523					
		1328	353	3881-4233					
		1806	350	978-1327					
		2132	326	1806-2131					
		2524	281	3319-3599					
		2775	279	4234-4512					
		3319	251	2524-2774					
		3600	179	636-814					
		3632	166	4513-4678					
		3633	163	815-977					
		3764	131	3633-3763					
		3799	122	4697-49					
		3849	50	3799-3848					
		3850	35	3764-3798					
		3881	32	3600-3631					
		4234	31	3850-3880					
		4513	18	4679-4696					
		4679	1	3632-3632					
		4697	1	3849-3849					
BsmFI	10	176	1815	495-2309					
GGGACNNNNNNNNNN ...327									
		1204	3741-175						
NNNNNNNNNNNNNNG...495									
		532	2945-3476						
		2310	499	2446-2944					
		2382	168	327-494					
		2446	155	3586-3740					
		2945	151	176-326					
		3477	109	3477-3585					
		3586	72	2310-2381					
		3741	64	2382-2445					
BsmI	2	1545	4676	1638-1544					
GAATGCN									
		1638	93	1545-1637					
G CATTC									
Bsp120 I	1	1422	4769	1422-1421					
G GGCCC									
Bsp1286 I	13	686	1053	4402-685					
GDGCH C									
		815	755	1985-2739					
		1064	710	3159-3868					
		1389	559	1426-1984					
		1426	533	3869-4401					
		1985	325	1064-1388					
		2740	249	815-1063					
		2833	190	2907-3096					
		2907	129	686-814					

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		1424	173	4685-88			1420	438	3161-3598
		1425	160	2796-2955			1718	376	1718-2093
		2328	125	689-813			2094	318	974-1291
		2383	121	4564-4684			2114	301	2860-3160
		2400	112	814-925			2138	298	1420-1717
		2796	103	3758-3860			2169	273	3815-4087
		2956	97	1327-1423			2860	161	4669-60
		3179	75	926-1000			3161	128	1292-1419
		3569	55	2328-2382			3599	84	3599-3682
		3758	54	1001-1054			3683	69	3746-3814
		3861	38	635-672			3746	63	3683-3745
		4333	17	2383-2399			3815	31	2138-2168
		4551	16	673-688			4088	24	2114-2137
		4564	13	4551-4563			4669	20	2094-2113
		4685	1	1424-1424					
BssSI					BstYI				
4		826	2560	826-3385	12		586	1527	1438-2964
C ACGAG		3386	1056	4539-825	R GATCY		1145	1284	4071-585
C TCGTG		3512	1027	3512-4538			1378	559	586-1144
		4539	126	3386-3511			1429	392	3211-3602
BstBI							1438	359	3603-3961
2		1396	2689	3476-1395			2965	246	2965-3210
TT CGAA		3476	2080	1396-3475			3211	233	1145-1377
BstF5 I							3603	86	3974-4059
7		686	1865	3590-685			3962	51	1378-1428
GGATGNN		1052	1428	1052-2479			3974	12	3962-3973
CATCC		2480	457	2654-3110			4060	11	4060-4070
		2654	454	3136-3589			4071	9	1429-1437
		3111	366	686-1051	Bsu36 I				
		3136	174	2480-2653	2		2274	3137	3906-2273
		3590	25	3111-3135	CC TNAGG		3906	1632	2274-3905
BstNI					Cac8 I				
17		91	1273	1057-2329	36		87	591	1422-2012
CC WGG		284	779	2402-3180			280	560	4102-4661
		637	690	3863-4552			594	314	280-593
		691	579	3181-3759			598	310	864-1173
		816	353	284-636			769	283	3296-3578
		928	193	91-283			802	273	2070-2342
		1003	173	4687-90			850	254	2434-2687
		1057	125	691-815			864	241	1181-1421
		2330	121	4566-4686			1174	219	2874-3092
		2385	112	816-927			1181	211	3891-4101
		2402	103	3760-3862			1422	193	87-279
		3181	75	928-1002			2013	187	3579-3765
		3760	55	2330-2384			2056	186	2688-2873
		3863	54	1003-1056			2070	171	598-768
		4553	54	637-690			2343	157	4699-86
		4566	17	2385-2401			2362	66	3093-3158
		4687	13	4553-4565			2415	56	3813-3868
BstUI							2434	54	3242-3295
17		61	913	61-973			2688	53	2362-2414
CG CG		974	691	2169-2859			2874	48	802-849
		1292	581	4088-4668			3093	47	3766-3812
							3159	43	2013-2055

Sites					Fragments					Sites					Fragments				
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends		
			3165	41	3197-3237				1353	65	4238-4302				1371	63	3050-3112		
			3193	37	4662-4698				1387	61	3581-3641				1393	59	567-625		
			3197	33	769-801				1424	57	3803-3859				1463	52	719-770		
			3238	28	3165-3192				1573	48	1020-1067				1740	46	4412-4457		
			3242	22	3869-3890				1760	44	3113-3156				1902	43	4184-4226		
			3296	19	2343-2361				1983	42	43-84				1997	41	1179-1219		
			3579	19	2415-2433				2011	41	2292-2332				2292	39	1424-1462		
			3766	14	2056-2069				2333	39	3764-3802				2405	38	2900-2937		
			3813	14	850-863				2528	37	3298-3334				2557	33	666-698		
			3869	7	1174-1180				2563	33	771-803				2572	33	1220-1252		
			3891	6	3159-3164				2580	31	1393-1423				2603	29	2528-2556		
			4102	4	3238-3241				2615	29	4155-4183				2621	27	2727-2753		
			4662	4	594-597				2621	27	2727-2753				2702	27	3267-3293		
			4699	4	3193-3196				2719	27	3554-3580				2727	26	640-665		
									2754	26	4646-4671				2779	25	4382-4406		
Clal	1	2634	4769	2634-2633					2863	25	2754-2778				2872	24	2876-2899		
AT CGAT									2876	23	819-841				2900	23	2580-2602		
Csp6 I	10	219	1889	3099-218					2938	23	3335-3357				3014	20	1088-1107		
G TAC		244	1684	1415-3098					3031	20	1068-1087				3050	20	699-718		
		299	534	540-1073					3113	20	1740-1759				3157	19	3874-3892		
		332	282	1074-1355					3167	19	3031-3049				3184	18	4672-4689		
		383	157	383-539					3184	18	4672-4689				3267	18	1353-1370		
		540	59	1356-1414					3294	17	3167-3183				3298	17	3014-3030		
		1074	55	244-298					3335	17	2702-2718				3358	16	1371-1386		
		1356	51	332-382					3374	16	3358-3373				3554	15	804-818		
		1415	33	299-331					3581	14	1997-2010				3642	14	1983-1996		
		3099	25	219-243					3764	12	2603-2614				3803	11	4227-4237		
CviJ I	95	43	289	278-566					3860	11	4690-4700								
RG CY		85	281	2011-2291															
		94	251	3904-4154															
		278	184	94-277															
		567	180	3374-3553															
		626	167	1573-1739															
		635	142	1760-1901															
		640	123	2405-2527															
		666	122	3642-3763															
		699	111	4701-42															
		719	110	1463-1572															
		771	100	1253-1352															
		804	100	920-1019															
		819	98	4548-4645															
		842	90	4458-4547															
		848	84	2779-2862															
		920	83	3184-3266															
		1020	81	2621-2701															
		1068	81	1902-1982															
		1088	79	4303-4381															
		1108	76	2938-3013															
		1179	72	848-919															
		1220	72	2333-2404															
		1253	71	1108-1178															

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		3867	11	3893-3903	DraI TTT AAA	3	1496	2442	1496-3937
		3874	10	3157-3166			3938	2308	3957-1495
		3893	9	626-634			3957	19	3938-3956
		3904	9	2563-2571	DraIII CACNNN GTG	1	1910	4769	1910-1909
		4155	9	85-93					
		4184	9	2863-2871					
		4227	8	2719-2726	DrdI GACNNNN NNGTC	3	1865	2024	4610-1864
		4238	8	2572-2579			2821	1789	2821-4609
		4303	7	3867-3873			4610	956	1865-2820
		4382	7	3860-3866	DsaI C CRYGG	4	361	1904	3226-360
		4407	6	2557-2562			1418	1105	1418-2522
		4412	6	842-847			2523	1057	361-1417
		4458	6	1387-1392			3226	703	2523-3225
		4548	6	2615-2620	EaeI Y GGCCR	7	638	2115	3292-637
		4646	5	635-639			717	1594	1106-2699
		4672	5	4407-4411			1106	391	2874-3264
		4690	4	3294-3297			2700	389	717-1105
	4701	4	2872-2875			2874	174	2700-2873	
DdeI C TNAG	8	1249	1580	4438-1248		3265	79	638-716	
		1267	1007	1267-2273		3292	27	3265-3291	
		2274	881	2576-3456	EagI C GGCCG	1	2700	4769	2700-2699
		2576	449	3457-3905					
		3457	409	4029-4437					
		3906	302	2274-2575					
		4029	123	3906-4028	EarI CTCTTCN NNNNGAAGAG	3	2261	3682	3348-2260
		4438	18	1249-1266			3138	877	2261-3137
						3348	210	3138-3347	
DpnI GA TC	24	588	1209	4148-587	Ecl136 II GAG CTC	1	1387	4769	1387-1386
		1147	1180	1453-2632					
		1295	559	588-1146		Eco57 I CTGAAGNNNNNNNNNN NNNNNNNNNNNNNNNC	5	799	1898
		1333	376	3213-3588			1042	1398	4170-798
		1380	359	3605-3963			2940	798	3372-4169
		1431	311	2656-2966			3372	432	2940-3371
		1440	148	1147-1294			4170	243	799-1041
		1453	81	3045-3125	EcoO109 I RG GNCCY	1	3892	4769	3892-3891
		2633	78	2967-3044					
		2637	78	3135-3212		EcoRI G AATTC	1	1398	4769
		2656	78	3976-4053					
		2967	75	4073-4147	EcoRII CCWGG		17	89	1273
		3045	51	1380-1430			282	779	2400-3178
		3126	47	1333-1379			635	690	3861-4550
		3135	38	1295-1332			689	579	3179-3757
		3213	19	2637-2655			814	353	282-634
		3589	16	3589-3604			926	193	89-281
		3605	13	1440-1452			1001	173	4685-88
		3964	12	3964-3975					
		3976	11	4062-4072					
	4054	9	1431-1439						
	4062	9	3126-3134						
	4073	8	4054-4061						
	4148	4	2633-2636						

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		1055	125	689-813			3029	41	3364-3404
		2328	121	4564-4684			3032	41	2898-2938
		2383	112	814-925			3268	37	2861-2897
		2400	103	3758-3860			3364	22	2090-2111
		3179	75	926-1000			3405	18	601-618
		3758	55	2328-2382			3419	15	3872-3886
		3861	54	1001-1054			3533	14	2112-2125
		4551	54	635-688			3872	14	3405-3418
		4564	17	2383-2399			3887	11	2755-2765
		4685	13	4551-4563			4098	7	1170-1176
EheI	1	2795	4769	2795-2794			4304	5	2856-2860
GGC GCC							4307	3	1228-1230
							4372	3	3026-3028
							4515	3	4304-4306
							4670	3	3029-3031
FauI	16	94	1043	3820-93	FokI	7	673	1845	3597-672
CCCGC NNNN		120	634	1413-2046	GGATG NNNNNNNNNN	...1039	1428	1039-2466	
NNNNNNNGCGGG		287	584	287-870	NNNNNNNNNNNNNNCA	2467	457	2661-3117	
		871	537	2917-3453		2661	454	3143-3596	
		979	434	979-1412		3118	366	673-1038	
		1413	425	2492-2916		3143	194	2467-2660	
		2047	355	2116-2470		3597	25	3118-3142	
		2116	167	120-286					
		2471	138	3454-3591					
		2492	108	871-978					
		2917	96	3592-3687	FspI	1	2896	4769	2896-2895
		3454	81	3739-3819	TGC GCA				
		3592	69	2047-2115					
		3688	51	3688-3738	HaeII	4	2061	2358	4472-2060
		3739	26	94-119	RGC G Y		2069	1675	2797-4471
		3820	21	2471-2491			2797	728	2069-2796
							4472	8	2061-2068
Fnu4HI	37	601	700	4670-600	HaeIII	28	85	655	1902-2556
GC NGC		619	519	1571-2089	GG CC		278	509	3294-3802
		805	438	2126-2563			626	434	4238-4671
		886	339	3533-3871			635	391	2876-3266
		1170	284	886-1169			640	348	278-625
		1177	246	1325-1570			719	345	3893-4237
		1228	236	3032-3267			819	336	1424-1759
		1231	211	3887-4097			848	260	848-1107
		1325	206	4098-4303			1108	204	1220-1423
		1571	186	619-804			1220	193	85-277
		2090	155	4515-4669			1424	174	2702-2875
		2112	143	4372-4514			1760	153	4701-84
		2126	139	2564-2702			1902	142	1760-1901
		2564	114	3419-3532			2557	112	1108-1219
		2703	96	3268-3363			2563	100	719-818
		2755	94	1231-1324			2572	87	2615-2701
		2766	90	2766-2855			2615	79	640-718
		2856	87	2939-3025			2702	57	3803-3859
		2861	81	805-885			2876	43	2572-2614
		2898	65	4307-4371			3267	33	3860-3892
		2939	52	2703-2754			3294	29	819-847
		3026	51	1177-1227					

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		3803	27	3267-3293			3161	41	933-973
		3860	18	4672-4689			3421	37	2858-2894
		3893	11	4690-4700			3597	31	2136-2166
		4238	9	2563-2571			3683	26	2066-2091
		4672	9	626-634			4086	22	2092-2113
		4690	6	2557-2562			4195	13	2123-2135
		4701	5	635-639			4369	9	2114-2122
Hgal	6	527	1600	527-2126					
GACGCNNNNN		2127	1377	2127-3503					
NNNNNNNNNNNGCGTC		3504	696	4600-526					
		3583	578	4022-4599					
		4022	439	3583-4021					
		4600	79	3504-3582					
HhaI	23	935	1166	4538-934					
GCG C		976	768	1292-2059					
		1292	619	2169-2787					
		2060	403	3685-4087					
		2068	316	976-1291					
		2094	266	2897-3162					
		2116	260	3163-3422					
		2125	176	3423-3598					
		2138	174	4197-4370					
		2169	109	4088-4196					
		2788	100	4371-4470					
		2796	86	3599-3684					
		2860	67	4471-4537					
		2897	64	2796-2859					
		3163	41	935-975					
		3423	37	2860-2896					
		3599	31	2138-2168					
		3685	26	2068-2093					
		4088	22	2094-2115					
		4197	13	2125-2137					
		4371	9	2116-2124					
		4471	8	2060-2067					
		4538	8	2788-2795					
HinP1 I	23	933	1166	4536-932					
G CGC		974	768	1290-2057					
		1290	619	2167-2785					
		2058	403	3683-4085					
		2066	316	974-1289					
		2092	266	2895-3160					
		2114	260	3161-3420					
		2123	176	3421-3596					
		2136	174	4195-4368					
		2167	109	4086-4194					
		2786	100	4369-4468					
		2794	86	3597-3682					
		2858	67	4469-4535					
		2895	64	2794-2857					

[illegible]

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
T TAA		1495	1487	8-1494			2869	30	2021-2050
		1556	769	4008-7			2892	27	2051-2077
		1677	271	1847-2117			3031	24	377-400
		1698	121	1556-1676			3037	23	2869-2891
		1709	98	1749-1846			3154	14	618-631
		1721	61	1495-1555			3237	13	797-809
		1732	52	3956-4007			3504	9	854-862
		1749	21	1677-1697			3691	9	609-617
		1847	17	1732-1748			3895	6	2563-2568
		2118	14	3937-3950			4094	6	3031-3036
		3937	12	1709-1720			4666	2	2120-2121
		3951	11	1698-1708	NaeI GCC GGC	3	2013	3203	3579-2012
		3956	11	1721-1731			3296	1283	2013-3295
		4008	5	3951-3955			3579	283	3296-3578
	Msl I CAYNN NNRTG	6	366	2099	1132-3230	NarI GG GGC	1	2794	4769
676			1904	3231-365					
826			310	366-675					
1003			177	826-1002					
1132			150	676-825					
MspA1 I CMG CKG	5	1420	1815	4374-1419	NciI CC SGG	8	675	1371	1427-2797
		2292	1229	2900-4128			1329	1109	4335-674
		2900	872	1420-2291			1426	764	3571-4334
		4129	608	2292-2899			1427	654	675-1328
		4374	245	4129-4373			2798	613	2958-3570
MwoI GCNNNNN NNGC	36	91	1158	863-2020	NcoI C CATGG	3	361	2162	361-2522
		213	572	4094-4665			2523	1904	3226-360
		245	267	3237-3503			3226	703	2523-3225
		284	239	2122-2360	NdeI CA TATG	1	235	4769	235-234
		377	216	2569-2784					
		401	208	401-608					
		609	204	3691-3894	NgoMI G CCGGC	3	2011	3203	3577-2010
		618	199	3895-4093			3294	1283	2011-3293
		632	194	4666-90			3577	283	3294-3576
		737	187	3504-3690	NheI G CTAGC	1	592	4769	592-591
		797	139	2892-3030					
		810	122	91-212					
		854	117	3037-3153	NlaIII CATG	21	305	877	1347-2223
		863	105	632-736			365	720	3996-4715
		2021	93	284-376			600	384	3612-3995
		2051	84	2785-2868			882	356	3256-3611
		2078	83	3154-3236			912	345	2668-3012
		2120	79	2484-2562			1107	307	4767-304
		2122	72	2361-2432			1302	282	600-881
		2361	60	737-796			1347	235	365-599
		2433	51	2433-2483			2224	195	912-1106
		2484	44	810-853			2364	195	1107-1301
		2563	42	2078-2119			2436	186	3013-3198
		2569	39	245-283					
		2785	32	213-244					

[illegible]

Sites					Fragments							
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends			
		4060	9	3124-3132			2373	278	744-1021			
		4071	8	4052-4059			2445	255	2752-3006			
		4146	4	2631-2634			2752	209	3223-3431			
Sau96 I G GNCC	13	84	1409	1901-3309			3007	99	1037-1135			
		277	961	3892-83			3093	86	3007-3092			
		818	541	277-817			3157	72	2373-2444			
		1219	478	1423-1900			3223	66	3157-3222			
		1302	445	3310-3754			3432	64	3093-3156			
		1422	401	818-1218			4615	15	1022-1036			
		1423	193	84-276								
		1901	120	1302-1421	SfiI		5	850	2127	2129-4255		
		3310	83	1219-1301	C TRYAG			1403	1172	4447-849		
		3755	58	3801-3858				2129	726	1403-2128		
		3801	46	3755-3800				4256	553	850-1402		
		3859	33	3859-3891				4447	191	4256-4446		
		3892	1	1422-1422								
ScrFI CC NGG	25	91	903	1427-2329	SfiI		2	632	2832	2569-631		
		284	472	3863-4334	GGCCNNNN NGGCC			2569	1937	632-2568		
		637	396	2402-2797	SmaI		1	1427	4769	1427-1426		
		675	390	3181-3570	CC GGG							
		691	353	284-636	SnaBI		1	341	4769	341-340		
		816	272	1057-1328	TAC GTA							
		928	223	2958-3180	SphI		4	600	2170	3199-599		
		1003	218	4335-4552	GCATG C			2364	1764	600-2363		
		1057	193	91-283				2436	763	2436-3198		
		1329	189	3571-3759				3199	72	2364-2435		
		1426	173	4687-90	SspI		2	1702	4216	2255-1701		
		1427	160	2798-2957	AAT ATT			2255	553	1702-2254		
		2330	125	691-815	StuI		1	2615	4769	2615-2614		
		2385	121	4566-4686	AGG CCT							
		2402	112	816-927	StyI		5	361	2162	361-2522		
		2798	103	3760-3862	C QWWGG			2523	1499	3631-360		
		2958	97	1329-1425				2616	610	2616-3225		
		3181	75	928-1002				3226	405	3226-3630		
		3571	55	2330-2384				3631	93	2523-2615		
		3760	54	1003-1056								
		3863	38	637-674			Tail		17	126	891	2022-2912
		4335	17	2385-2401			ACGT			138	881	4014-125
		4553	16	675-690						179	781	3100-3880
		4566	13	4553-4565						262	760	1097-1856
		4687	1	1426-1426						343	265	448-712
SexAI A CCWGGT	1	2383	4769	2383-2382				448	213	713-925		
								713	187	2913-3099		
								926	171	926-1096		
								1097	133	3881-4013		
								1857	110	1912-2021		
								1869	105	343-447		
SfaNI GCATCNNNNN NNNNNNNNNGATGC ...	15	358	1183	3432-4614								
		744	763	1610-2372								
		1022	512	4615-357								
		1037	474	1136-1609								
		1136	386	358-743								
		1610	307	2445-2751								

Sites					Fragments						
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends		
		1912	83	179-261			4371	3	1227-1229		
		2022	81	262-342							
		2913	43	1869-1911	Tsp45 I GTSAC	5	828	2377	3220-827		
		3100	41	138-178			1317	831	2083-2913		
		3881	12	126-137			2083	766	1317-2082		
		4014	12	1857-1868			2914	489	828-1316		
							3220	306	2914-3219		
TaqI T CGA	19	695	850	4614-694	Tsp509 I AATT	11	19	1418	2534-3951		
		989	838	3776-4613			1398	1379	19-1397		
		1016	691	1943-2633			1544	836	3952-18		
		1031	534	1409-1942			1608	647	1723-2369		
		1160	294	695-988			1686	146	1398-1543		
		1383	273	2634-2906			1712	92	2442-2533		
		1396	255	3521-3775			1723	78	1608-1685		
		1409	223	1160-1382			2370	72	2370-2441		
		1943	191	3285-3475			2442	64	1544-1607		
		2634	162	3123-3284			2534	26	1686-1711		
		2907	156	2907-3062			3952	11	1712-1722		
		3063	129	1031-1159			TspRI CAGTGNN CACTGNN	6	859	1311	4317-858
		3087	45	3476-3520					1640	1283	1640-2922
		3123	36	3087-3122					2923	1110	2923-4032
		3285	27	989-1015					4033	781	859-1639
		3476	24	3063-3086	4304	271			4033-4303		
		3521	15	1016-1030	4317	13	4304-4316				
		3776	13	1383-1395							
		4614	13	1396-1408							
		TfiI G AWTC	5	3279	3310	4738-3278	Tth111 I GACN NNGTC	1	2912	4769	2912-2911
3413	1178			3560-4737							
3523	134			3279-3412	XbaI T CTAGA	1	1441	4769	1441-1440		
3560	110			3413-3522							
4738	37			3523-3559							
TseI G CWGC	21	600	998	4371-599	XhoI C TCGAG	1	1382	4769	1382-1381		
		618	665	2089-2753							
		804	519	1570-2088	XmaI C CCGGG	1	1425	4769	1425-1424		
		885	453	3418-3870							
		1169	387	3031-3417							
		1176	340	1230-1569							
		1227	284	885-1168							
		1230	226	3871-4096							
		1570	206	4097-4302							
		2089	186	618-803							
		2754	101	2754-2854							
		2855	93	2938-3030							
		2897	81	804-884							
		2938	65	4306-4370							
		3031	51	1176-1226							
		3418	42	2855-2896							
		3871	41	2897-2937							
		4097	18	600-617							
		4303	7	1169-1175							
		4306	3	4303-4305							

The following restriction enzymes do not cut pEYFP-ER:

AgeI, AhdI, AscI, BbsI, BlpI, BsiWI, BsmBI, BspEI, BssHII, Bst1107 I, BstEII, BstXI, Eco47 III, EcoNI, EcoRV, FseI, MluI, NotI, NruI, PacI, PflMI, PmeI, Pml I, PpuMI, PshAI, Psp1406 I, PvuI, ScaI, SgfI, SgrAI, SpeI, SrfI, Sse8387 I, SwaI, XcmI, XmnI.