

	Sites		Fragments			Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
AatII GACGT C	4	126	4596	448-125		3009	25	632-656	
		179	186	262-447		3073	23	590-612	
		262	83	179-261		3174	21	508-528	
		448	53	126-178		3177	19	4644-4662	
AclI C CGC G CGG	75	59	613	1590-2202		3417	16	3512-3527	
		87	283	800-1082		3457	15	782-796	
		99	240	3177-3416		3462	14	99-112	
		113	234	4035-4268		3512	14	2261-2274	
		280	185	2428-2612		3528	12	729-740	
		371	167	113-279		3554	12	87-98	
		404	139	2713-2851		3610	12	2613-2624	
		508	138	1230-1367		3679	12	2634-2645	
		529	135	4278-4412		3682	11	2656-2666	
		590	127	4663-4789		3748	10	772-781	
		613	121	4523-4643		3830	10	613-622	
		623	113	1368-1480		3895	10	2646-2655	
		632	110	4413-4522		3962	9	4269-4277	
		657	104	404-507		4035	9	623-631	
		666	101	3073-3173		4269	9	2625-2633	
		729	94	2915-3008		4278	9	657-665	
		741	91	4818-4908		4413	5	3457-3461	
		772	91	280-370		4523	4	1586-1589	
		782	82	3748-3829		4644	3	3174-3176	
		797	73	3962-4034		4663	3	797-799	
		800	69	3610-3678		4790	3	1541-1543	
		1083	68	4909-58		4818	3	2258-2260	
		1124	67	3895-3961		4909	3	3679-3681	
		1191	67	1124-1190	Afl II	1	1825	4918	1825-1824
		1230	66	3682-3747	C TTAAG				
		1368	65	3830-3894	Afl III	1	4861	4918	4861-4860
		1481	64	3009-3072	A CRYGT				
		1541	63	2365-2427	Agel	1	852	4918	852-851
		1544	63	666-728	A CCGGT				
		1586	63	2852-2914	AluI	22	567	797	3507-4303
		1590	61	529-589	AG CT		825	788	4697-566
		2203	60	1481-1540			885	458	3049-3506
		2230	56	3554-3609			918	320	2729-3048
	2258	50	3462-3511			990	295	2146-2440	
	2261	47	2318-2364			1023	288	2441-2728	
	2275	46	2667-2712			1239	258	567-824	
	2318	43	2275-2317			1287	257	4304-4560	
	2365	42	1544-1585			1398	257	1889-2145	
	2428	41	1083-1123			1472	216	1023-1238	
	2613	40	3417-3456			1572	167	1722-1888	
	2625	39	1191-1229			1722	150	1572-1721	
	2634	33	371-403			1889	111	1287-1397	
	2646	31	741-771			2146	100	1472-1571	
	2656	28	4790-4817			2441	90	4607-4696	
	2667	28	59-86			2729	74	1398-1471	
	2713	28	2230-2257						
	2852	27	2203-2229						
	2915	26	3528-3553						

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		3049	72	918-989	G GATCC				
		3507	60	825-884	BanI	5	466	2407	2977-465
		4304	48	1239-1286	G GYRCC		900	1196	900-2095
		4561	46	4561-4606			2096	846	2096-2941
		4607	33	990-1022			2942	434	466-899
		4697	33	885-917			2977	35	2942-2976
Alw26 I	6	435	1599	768-2366	BanII	4	827	1727	4018-826
GTCTCN		768	1421	3932-434	GRGCY C		2134	1307	827-2133
NNNNNGAGAC		2367	1019	2785-3803			3308	1174	2134-3307
		2785	418	2367-2784			4018	710	3308-4017
		3804	333	435-767	BbeI	1	2946	4918	2946-2945
		3932	128	3804-3931	GGCGC C				
AlwI	16	581	1253	1558-2810	BbvI	21	638	1024	4532-637
GGATCNNNN		841	1196	4303-580	GCAGCNNNNNNN		761	665	2225-2889
NNNNNGATCC		854	505	854-1358	NNNNNNNNNNNGCT.	1010	494	1731-2224	
		1359	363	3368-3730			1116	453	3579-4031
		1558	358	3760-4117			1400	412	3167-3578
		2811	311	2811-3121			1407	295	1436-1730
		3122	260	581-840			1433	284	1116-1399
		3187	199	1359-1557			1436	249	761-1009
		3368	181	3187-3367			1731	206	4233-4438
		3731	96	4119-4214			2225	201	4032-4232
		3760	86	4217-4302			2890	126	2890-3015
		4118	65	3122-3186			3016	123	638-760
		4119	29	3731-3759			3058	106	1010-1115
		4215	13	841-853			3074	93	3074-3166
		4217	2	4215-4216			3167	90	4442-4531
		4303	1	4118-4118			3579	42	3016-3057
AlwNI	2	4044	4510	4452-4043			4032	26	1407-1432
CAGNNN CTG		4452	408	4044-4451			4233	16	3058-3073
ApaLI	1	4547	4918	4547-4546			4439	7	1400-1406
G TGCAC							4442	3	1433-1435
ApoI	3	1757	4803	1872-1756			4532	3	4439-4441
R AATTY		1861	104	1757-1860	Bcgl	1	955	4918	955-954
		1872	11	1861-1871	GCANNNNNTCGNNNN...				
AseI	1	8	4918	8-7	NNNNNNNNNNCGANN...				
AT TAAT					Bcgl	1	989	4918	989-988
Avall	4	830	1938	1521-3458	CGANNNNNTGCGNNNN...				
G WCC		1521	1844	3904-829	NNNNNNNNNNNGCANN...				
		3459	691	830-1520	Bfal	8	593	1143	4368-592
		3904	445	3459-3903	C TAG		1598	1015	2766-3780
AvrII	2	2765	3903	3780-2764			1792	1005	593-1597
C CTAGG		3780	1015	2765-3779			2210	556	2210-2765
BamHI	1	846	4918	846-845			2766	418	1792-2209
							3781	334	3781-4114
							4115	253	4115-4367

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Length	Ends	
4368			194	1598-1791	4010		9	2707-2715	
4011			1	3907-3907	4701		1	4010-4010	
Bgl I	4	91	2434	284-2717	BsaWI	7	827	2122	852-2973
GCCNNNN NGGC		213	2291	2718-90	W CCGGW		832	1090	4655-826
		284	122	91-212			852	844	2974-3817
		2718	71	213-283			2974	690	3818-4507
BpmI	4	1309	2444	3783-1308			3818	147	4508-4654
CTGGAGNNNNNNNNNN		549	2177	1549-3725			4508	20	832-851
NNNNNNNNNNNNNNNC		3726	240	1309-1548			4655	5	827-831
		3783	57	3726-3782	Bsc4 I	26	49	606	49-654
BsaAI	3	341	2012	3247-340	CCNNNN NNNGG		655	544	2923-3466
YAC GTR		2059	1718	341-2058			656	408	1546-1953
		3247	1188	2059-3246			674	392	2280-2671
BsaBI	2	1605	3721	2802-1604			777	353	4029-4381
GATNN NNATC		2802	1197	1605-2801			805	350	1196-1545
BsaHI	8	123	2242	701-2942			1033	326	1954-2279
GR CGYC		176	1317	3724-122			1196	281	3467-3747
		259	702	2943-3644			1546	279	4382-4660
		445	256	445-700			1954	251	2672-2922
		701	186	259-444			2280	228	805-1032
		2943	83	176-258			2672	166	4661-4826
		3645	79	3645-3723			2923	163	1033-1195
		3724	53	123-175			3467	131	3781-3911
BsaI	1	3932	4918	3932-3931			3748	122	4845-48
GGTCTCN							3780	103	674-776
NNNNNGAGACC							3781	50	3947-3996
BsaJI	24	361	1202	1275-2476			3912	35	3912-3946
C C NNGG		696	690	4011-4700			3947	32	3748-3779
		818	578	4701-360			3997	31	3998-4028
		842	405	3375-3779			3998	28	777-804
		863	341	2765-3105			4029	18	656-673
		893	335	361-695			4382	18	4827-4844
		1033	269	3106-3374			4661	1	655-655
		1196	163	1033-1195			4827	1	3780-3780
		1220	140	893-1032			4845	1	3997-3997
		1275	127	3780-3906	BseRI	2	895	3052	2761-894
		2477	123	2549-2671	GAGGAGNNNNNNNNNN		761	1866	895-2760
		2549	122	696-817	NNNNNNNNCTCCTC ...				
		2672	102	3908-4009	BsGI	3	676	4180	1414-675
		2707	72	2477-2548	GTGCAGNNNNNNNNNN		993	421	993-1413
		2716	55	1220-1274	NNNNNNNNNNNNNNNC		1414	317	676-992
		2765	49	2716-2764	BsiEI	4	857	1675	2852-4526
		3106	35	2672-2706	CGRY CG		1590	1262	1590-2851
		3375	30	863-892			2852	1248	4527-856
		3780	24	1196-1219			4527	733	857-1589
		3907	24	818-841	BsiHKAI	4	827	2229	827-3055
		3908	21	842-862					

	Sites		Fragments			Sites		Fragments	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
CCNNGG		282	472	4010-4481		2551	103	3909-4011	
		639	396	2549-2944		3330	80	641-720	
		719	390	3328-3717		3909	75	1147-1221	
		817	357	282-638		4012	55	2479-2533	
		892	272	1274-1545		4702	54	1222-1275	
		908	223	3105-3327		4715	17	2534-2550	
		1033	218	4482-4699		4836	13	4702-4714	
		1145	193	89-281					
		1220	189	3718-3906	BstUI	20	61	691	2318-3008
		1274	173	4834-88	CG CG		634	581	4237-4817
		1546	160	2945-3104			646	573	61-633
		2477	125	908-1032			731	462	731-1192
		2532	121	4713-4833			1193	438	3310-3747
		2549	112	1033-1144			1511	376	1867-2242
		2945	103	3907-4009			1592	318	1193-1510
		3105	98	719-816			1867	301	3009-3309
		3328	80	639-718			2243	275	1592-1866
		3718	75	1145-1219			2263	273	3964-4236
		3907	75	817-891			2287	161	4818-60
		4010	55	2477-2531			2318	85	646-730
	4482	54	1220-1273			3009	84	3748-3831	
	4700	17	2532-2548			3310	81	1511-1591	
	4713	16	892-907			3748	69	3895-3963	
	4834	13	4700-4712			3832	63	3832-3894	
						3895	31	2287-2317	
BssSI	5	673	2490	1045-3534		3964	24	2263-2286	
C ACGAG		1045	1027	3661-4687		4237	20	2243-2262	
C TCGTG		3535	903	4688-672		4818	12	634-645	
		3661	372	673-1044					
		4688	126	3535-3660	BstYI	10	586	1750	1364-3113
					R GATCY		846	1284	4220-585
BstBI	1	3625	4918	3625-3624		1364	518	846-1363	
TT CGAA						3114	392	3360-3751	
						3360	359	3752-4110	
BstF5 I	7	905	2084	3739-904		3752	260	586-845	
GGATGNN		1271	1358	1271-2628		4111	246	3114-3359	
CATCC		2629	457	2803-3259		4123	86	4123-4208	
		2803	454	3285-3738		4209	12	4111-4122	
		3260	366	905-1270		4220	11	4209-4219	
		3285	174	2629-2802					
		3739	25	3260-3284	Bsu36 I	2	2423	3286	4055-2422
					CC TNAGG		4055	1632	2423-4054
BstNI	18	91	1203	1276-2478					
CC WGG		284	779	2551-3329	Cac8 I	39	87	762	1400-2161
		641	690	4012-4701	GCN NGC		280	560	4251-4810
		721	579	3330-3908			594	314	280-593
		910	357	284-640			659	310	1083-1392
		1035	193	91-283			663	283	3445-3727
		1147	189	721-909			670	273	2219-2491
		1222	173	4836-90			726	254	2583-2836
		1276	125	910-1034			745	243	745-987
		2479	121	4715-4835			988	219	3023-3241
		2534	112	1035-1146			1021	211	4040-4250

<u>Sites</u>				<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>				<u>Fragments</u>			
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		1069	193	87-279			728	110	1612-1721					
		1083	187	3728-3914			740	100	1139-1238					
		1393	186	2837-3022			785	100	1472-1571					
		1400	157	4848-86			825	98	4697-4794					
		2162	66	3242-3307			841	90	4607-4696					
		2205	65	594-658			885	84	2928-3011					
		2219	56	3962-4017			918	83	3333-3415					
		2492	56	670-725			938	81	2770-2850					
		2511	54	3391-3444			990	81	2051-2131					
		2564	53	2511-2563			1023	79	4452-4530					
		2583	48	1021-1068			1038	76	3087-3162					
		2837	47	3915-3961			1061	72	1067-1138					
		3023	43	2162-2204			1067	72	2482-2553					
		3242	41	3346-3386			1139	71	1327-1397					
		3308	37	4811-4847			1239	65	4387-4451					
		3314	33	988-1020			1287	63	3199-3261					
		3342	28	3314-3341			1307	61	3730-3790					
		3346	22	4018-4039			1327	57	3952-4008					
		3387	19	726-744			1398	52	938-989					
		3391	19	2564-2582			1439	49	612-660					
		3445	19	2492-2510			1472	48	1239-1286					
		3728	14	1069-1082			1572	46	4561-4606					
		3915	14	2205-2218			1589	45	679-723					
		3962	7	1393-1399			1612	45	740-784					
		4018	7	663-669			1722	44	3262-3305					
		4040	6	3308-3313			1889	44	841-884					
		4251	4	3387-3390			1909	43	4333-4375					
		4811	4	659-662			2051	42	43-84					
		4848	4	3342-3345			2132	41	1398-1438					
Clal	1	2783	4918	2783-2782			2146	41	2441-2481					
AT CGAT							2160	40	785-824					
Csp6 I	9	219	1889	3248-218			2441	39	3913-3951					
G TAC		244	1673	1575-3247			2482	38	3049-3086					
		299	753	540-1292			2554	37	3447-3483					
		332	282	1293-1574			2677	36	567-602					
		383	157	383-539			2706	33	885-917					
		540	55	244-298			2712	33	1439-1471					
		1293	51	332-382			2721	33	990-1022					
		1575	33	299-331			2729	29	2677-2705					
		3248	25	219-243			2752	29	4304-4332					
CviI	99	43	289	278-566			2764	27	2876-2902					
RG CY		85	281	2160-2440			2770	27	3416-3442					
		94	251	4053-4303			2851	27	3703-3729					
		278	184	94-277			2868	26	4795-4820					
		567	180	3523-3702			2876	25	2903-2927					
		603	167	1722-1888			2903	25	4531-4555					
		612	142	1909-2050			2928	24	3025-3048					
		661	123	2554-2676			3012	23	1038-1060					
		679	122	3791-3912			3021	23	1589-1611					
		724	111	4850-42			3025	23	3484-3506					
							3049	23	2729-2751					
							3087	20	1889-1908					
							3163	20	1287-1306					

<u>Sites</u>				<u>Fragments</u>		<u>Sites</u>				<u>Fragments</u>	
Number	Position	Length	Ends	Number	Ends	Number	Position	Length	Ends	Number	Ends
	3180	20	918-937				1602	311	2805-3115		
	3199	20	1307-1326				2782	260	588-847		
	3262	19	3180-3198				2786	148	1366-1513		
	3306	19	4023-4041				2805	81	3194-3274		
	3316	18	4821-4838				3116	78	3284-3361		
	3333	18	661-678				3194	78	4125-4202		
	3416	17	2851-2867				3275	78	3116-3193		
	3443	17	1572-1588				3284	75	4222-4296		
	3447	17	3316-3332				3362	50	1552-1601		
	3484	17	3163-3179				3738	38	1514-1551		
	3507	16	825-840				3754	19	2786-2804		
	3523	16	3507-3522				4113	16	3738-3753		
	3703	15	1023-1037				4125	12	4113-4124		
	3730	14	2132-2145				4203	11	4211-4221		
	3791	14	2146-2159				4211	9	3275-3283		
	3913	12	2752-2763				4222	8	4203-4210		
	3952	12	728-739				4297	4	2782-2785		
	4009	11	4376-4386								
	4016	11	4042-4052			DraI	3	1645	2457	4106-1644	
	4023	11	4839-4849			TTT AAA		4087	2442	1645-4086	
	4042	10	3306-3315					4106	19	4087-4105	
	4053	9	603-611								
	4304	9	85-93			DraIII	1	2059	4918	2059-2058	
	4333	9	2712-2720			CACNNN GTG					
	4376	9	3012-3020								
	4387	8	2868-2875			DrdI	3	2014	2173	4759-2013	
	4452	8	2721-2728			GACNNNN NNGTC		2970	1789	2970-4758	
	4531	7	4016-4022					4759	956	2014-2969	
	4556	7	4009-4015								
	4561	6	2764-2769			DsaI	4	361	1904	3375-360	
	4607	6	2706-2711			C CRYGG		863	1809	863-2671	
	4697	6	1061-1066					2672	703	2672-3374	
	4795	5	4556-4560					3375	502	361-862	
	4821	4	3443-3446								
	4839	4	3021-3024			EaeI	9	677	2154	3441-676	
	4850	4	724-727			Y GGCCR		726	1262	1587-2848	
								936	391	3023-3413	
								1325	389	936-1324	
								1587	262	1325-1586	
								2849	210	726-935	
								3023	174	2849-3022	
								3414	49	677-725	
								3441	27	3414-3440	
						EagI	2	1587	3656	2849-1586	
						C GGCCG		2849	1262	1587-2848	
						EarI	3	2410	3831	3497-2409	
						CTCTTCN		3287	877	2410-3286	
						NNNNGAAGAG		3497	210	3287-3496	
						Ecl136 II	1	825	4918	825-824	
						GAG CTC					
DdeI	10	619	950	4587-618							
C TNAG		736	937	1486-2422							
		1468	881	2725-3605							
		1486	732	736-1467							
		2423	449	3606-4054							
		2725	409	4178-4586							
		3606	302	2423-2724							
		4055	123	4055-4177							
		4178	117	619-735							
		4587	18	1468-1485							
Dpnl	22	588	1209	4297-587							
GA TC		848	1180	1602-2781							
		1366	518	848-1365							
		1514	376	3362-3737							
		1552	359	3754-4112							

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>		
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends	
FspI	1	3045	4918	3045-3044				1511	316	1195-1510		
TGC GCA								2209	266	3046-3311		
								2217	260	3312-3571		
HaeII	5	632	1675	2946-4620				2243	176	3572-3747		
RGCGC Y		2210	1578	632-2209				2265	174	4346-4519		
		2218	929	4621-631				2274	109	4237-4345		
		2946	728	2218-2945				2287	100	4520-4619		
		4621	8	2210-2217				2318	86	3748-3833		
								2937	67	4620-4686		
HaeIII	29	85	655	2051-2705				2945	64	2945-3008		
GG CC		278	509	3443-3951				3009	42	646-687		
		661	434	4387-4820				3046	41	1154-1194		
		679	391	3025-3415				3312	37	3009-3045		
		728	383	278-660				3572	31	2287-2317		
		841	345	4042-4386				3748	26	2217-2242		
		938	320	1589-1908				3834	22	2243-2264		
		1038	260	1067-1326				4237	15	631-645		
		1067	193	85-277				4346	13	2274-2286		
		1327	174	2851-3024				4520	9	2265-2273		
		1439	153	4850-84				4620	8	2209-2216		
		1589	150	1439-1588				4687	8	2937-2944		
		1909	142	1909-2050								
		2051	113	728-840				HinP1 I	26	629	862	4685-628
		2706	112	1327-1438				G CGC		644	698	1509-2206
		2712	100	938-1037						686	619	2316-2934
		2721	97	841-937						1152	466	686-1151
		2764	87	2764-2850						1193	403	3832-4234
		2851	57	3952-4008						1509	316	1193-1508
		3025	49	679-727						2207	266	3044-3309
		3416	43	2721-2763						2215	260	3310-3569
		3443	33	4009-4041						2241	176	3570-3745
		3952	29	1038-1066						2263	174	4344-4517
		4009	27	3416-3442						2272	109	4235-4343
		4042	18	661-678						2285	100	4518-4617
		4387	18	4821-4838						2316	86	3746-3831
		4821	11	4839-4849						2935	67	4618-4684
		4839	9	2712-2720						2943	64	2943-3006
		4850	6	2706-2711						3007	42	644-685
										3044	41	1152-1192
HgaI	8	527	1586	690-2275						3310	37	3007-3043
GACGCNNNNN		635	1377	2276-3652						3570	31	2285-2315
NNNNNNNNNNGCGTC...		690	696	4749-526						3746	26	2215-2240
		2276	578	4171-4748						3832	22	2241-2262
		3653	439	3732-4170						4235	15	629-643
		3732	108	527-634						4344	13	2272-2284
		4171	79	3653-3731						4518	9	2263-2271
		4749	55	635-689						4618	8	2207-2214
										4685	8	2935-2942
HhaI	26	631	862	4687-630								
GCG C		646	698	1511-2208				HinCII	1	1706	4918	1706-1705
		688	619	2318-2936				GTY RAC				
		1154	466	688-1153								
		1195	403	3834-4236				HinFI	13	411	1010	2418-3427

	<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>			
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends		
G ANTC		761	833	761-1593	KasI G GCGCC	1	2942	4918	2942-2941		
		1594	782	3709-4490							
		1986	442	4887-410							
		2008	410	2008-2417		MaeII A CGT	17	123	891	2168-3058	
		2418	396	4491-4886					135	881	4160-122
		3428	392	1594-1985					176	781	3246-4026
		3562	350	411-760					259	690	1313-2002
		3614	134	3428-3561					340	484	445-928
		3672	58	3614-3671					445	213	929-1141
		3709	52	3562-3613					929	187	3059-3245
		4491	37	3672-3708					1142	171	1142-1312
		4887	22	1986-2007					1313	133	4027-4159
									2003	110	2058-2167
							2015	105	340-444		
							2058	83	176-258		
HpaI GTT AAC	1	1706	4918	1706-1705							
HpaII C CGG	24	818	1080	4656-817							
		828	687	2161-2847							
		833	614	1547-2160							
		853	531	1016-1546							
		893	474	3819-4292							
		956	275	3444-3718							
		1016	190	4293-4482	MaeIII GTNAC	15	62	819	2244-3062		
		1547	181	3263-3443				149	690	3369-4058	
		2161	147	4509-4655				498	501	1731-2231	
		2848	131	2975-3105				702	489	1047-1535	
		2925	92	3727-3818				1047	476	4504-61	
		2947	90	3106-3195				1536	349	149-497	
		2975	77	2848-2924				1731	345	702-1046	
		3106	67	3196-3262				2232	306	3063-3368	
		3196	63	893-955				2244	266	4059-4324	
		3263	60	956-1015				3063	204	498-701	
		3444	40	853-892				3369	195	1536-1730	
		3719	28	2947-2974				4059	116	4325-4440	
		3727	26	4483-4508				4325	87	62-148	
		3819	22	2925-2946				4441	63	4441-4503	
		4293	20	833-852				4504	12	2232-2243	
		4483	10	818-827							
		4509	8	3719-3726		MboII GAAGANNNNNNN NNNNNNNTCTTC	13	1107	1821	4204-1106	
		4656	5	828-832					1152	877	2427-3303
								1155	849	1350-2198	
								1350	228	2199-2426	
								2199	210	3304-3513	
								2427	200	3761-3960	
								3304	195	1155-1349	
								3514	172	3961-4132	
							3594	167	3594-3760		
							3761	80	3514-3593		
							3961	71	4133-4203		
							4133	45	1107-1151		
							4204	3	1152-1154		
HphI GGTGANNNNNNN NNNNNNNTCACC	11	377	1165	4130-376							
		696	1061	2060-3120							
		879	893	3121-4013							
		882	695	1365-2059							
		1212	330	882-1211							
		1236	319	377-695							
		1365	183	696-878							
		2060	129	1236-1364							
		3121	116	4014-4129							
		4014	24	1212-1235							
		4130	3	879-881							
					MfeI C AATTG	1	1693	4918	1693-1692		

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
Mnl I CCTC NNNNNNN NNNNNNNGAGG	36	542	702	4758-541				4100	11	1847-1857	
		593	416	1671-2086				4105	11	1870-1880	
		718	370	4064-4433				4157	5	4100-4104	
		825	357	2994-3350							
		829	331	2087-2417							
		873	283	3781-4063							
		954	278	2418-2695							
		960	250	4434-4683							
		1054	248	1374-1621							
		1191	206	3544-3749							
		1203	193	3351-3543							
		1254	137	1054-1190							
		1374	136	2858-2993							
		1622	125	593-717							
		1662	120	1254-1373							
		1671	107	718-824							
		2087	94	960-1053							
		2418	81	873-953							
		2696	74	4684-4757							
		2702	64	2794-2857							
		2726	51	542-592							
		2732	51	1203-1253							
		2739	44	829-872							
		2742	40	2754-2793							
		2754	40	1622-1661							
		2794	31	3750-3780							
		2858	24	2702-2725							
		2994	12	2742-2753							
		3351	12	1191-1202							
		3544	9	1662-1670							
		3750	7	2732-2738							
		3781	6	954-959							
		4064	6	2696-2701							
		4434	6	2726-2731							
		4684	4	825-828							
		4758	3	2739-2741							
MscI TGG CCA	1	3025	4918	3025-3024							
MseI T TAA	15	8	1819	2267-4085							
		1644	1636	8-1643							
		1705	769	4157-7							
		1826	271	1996-2266							
		1847	121	1705-1825							
		1858	98	1898-1995							
		1870	61	1644-1704							
		1881	52	4105-4156							
		1898	21	1826-1846							
		1996	17	1881-1897							
		2267	14	4086-4099							
		4086	12	1858-1869							
	Msi I CAYNN NNRTG	7	366	2029	1351-3379						
		865	1904	3380-365							
		895	499	366-864							
	1045	177	1045-1221								
	1222	150	895-1044								
	1351	129	1222-1350								
	3380	30	865-894								
MspA1 I CMG CKG	6	657	1667	774-2440							
	774	1229	3049-4277								
	2441	1052	4523-656								
	3049	608	2441-3048								
	4278	245	4278-4522								
	4523	117	657-773								
MwoI GCNNNNN NNGC	36	91	1088	1082-2169							
		213	572	4243-4814							
		245	267	3386-3652							
		284	239	2271-2509							
		377	219	737-955							
		401	216	2718-2933							
		609	208	401-608							
		685	204	3840-4043							
		737	199	4044-4242							
		956	194	4815-90							
		1016	187	3653-3839							
		1029	139	3041-3179							
		1073	122	91-212							
		1082	117	3186-3302							
		2170	93	284-376							
		2200	84	2934-3017							
		2227	83	3303-3385							
		2269	79	2633-2711							
		2271	76	609-684							
		2510	72	2510-2581							
	2582	60	956-1015								
	2633	52	685-736								
	2712	51	2582-2632								
	2718	44	1029-1072								
	2934	42	2227-2268								
	3018	39	245-283								
	3041	32	213-244								
	3180	30	2170-2199								
	3186	27	2200-2226								
	3303	24	377-400								
	3386	23	3018-3040								
	3653	13	1016-1028								
	3840	9	1073-1081								
	4044	6	2712-2717								

		<u>Sites</u>			<u>Fragments</u>				
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position
						Length	Ends		
			4243	6	3180-3185			4865	30 1101-1130
			4815	2	2269-2270			4916	26 3379-3404
NaeI	3	2162	3352	3728-2161	NlaIV	19	468	848	2979-3826
GCC GGC		3445	1283	2162-3444	GGN NCC		611	843	3951-4793
		3728	283	3445-3727			840	658	1440-2097
							848	553	4833-467
NarI	1	2943	4918	2943-2942			902	538	902-1439
GG CGCC							1440	389	2555-2943
							2098	229	611-839
NciI	7	819	1399	1548-2946			2119	191	2131-2321
CC SGG		894	1253	4484-818			2131	161	2322-2482
		1548	764	3720-4483			2322	143	468-610
		2947	654	894-1547			2483	79	3827-3905
		3107	613	3107-3719			2555	72	2483-2554
		3720	160	2947-3106			2944	54	848-901
		4484	75	819-893			2979	45	3906-3950
							3827	39	4794-4832
NcoI	4	361	1904	3375-360			3906	35	2944-2978
C CATGG		863	1809	863-2671			3951	21	2098-2118
		2672	703	2672-3374			4794	12	2119-2130
		3375	502	361-862			4833	8	840-847
NdeI	1	235	4918	235-234	NotI	1	1587	4918	1587-1586
CA TATG					GC GCCCGC				
NgoMI	3	2160	3352	3726-2159	NsiI	3	2515	2515	4918-2514
G CCGGC		3443	1283	2160-3442	ATGCA T		2587	2331	2587-4917
		3726	283	3443-3725			4918	72	2515-2586
NheI	1	592	4918	592-591	NspI	4	2513	2566	4865-2512
G CTAGC					RCATG Y		2585	1517	3348-4864
							3348	763	2585-3347
NlaIII	22	305	807	1566-2372			4865	72	2513-2584
CATG		365	720	4145-4864	PleI	8	405	1182	2426-3607
		600	384	3761-4144	GAGTCNNNN		769	877	3608-4484
		867	356	3405-3760	NNNNNGACTC		1588	838	4485-404
		1101	345	2817-3161			1994	819	769-1587
		1131	307	4916-304			2002	424	2002-2425
		1326	267	600-866			2426	406	1588-1993
		1521	235	365-599			3608	364	405-768
		1566	234	867-1100			4485	8	1994-2001
		2373	195	1131-1325	Ppu10 I	3	2511	2515	4914-2510
		2513	195	1326-1520	A TGCAT		2583	2331	2583-4913
		2585	186	3162-3347			4914	72	2511-2582
		2676	141	2676-2816					
		2817	140	2373-2512	PstI	2	779	4624	1073-778
		3162	91	2585-2675	CTGCA G		1073	294	779-1072
		3348	72	2513-2584					
		3379	60	305-364	PvuII	2	2441	4310	3049-2440
		3405	51	4865-4915	CAG CTG		3049	608	2441-3048
		3761	45	1521-1565					
		4145	31	3348-3378					

	<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>		
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends	
Rsal GT AC	9	220	1889	3249-219		3459	83	1438-1520		
		245	1673	1576-3248		3904	58	3950-4007		
		300	753	541-1293		3950	46	3904-3949		
		333	282	1294-1575		4008	33	4008-4040		
		384	157	384-540		4041	9	830-838		
		541	55	245-299						
		1294	51	333-383		ScrFI	25	91	931	1548-2478
		1576	33	300-332		CC NGG		284	472	4012-4483
		3249	25	220-244				641	396	2551-2946
RsrII CG GWCCG	2	830	2629	830-3458		721	390	3330-3719		
		3459	2289	3459-829		819	357	284-640		
SacI GAGCT C	1	827	4918	827-826		894	272	1276-1547		
						910	223	3107-3329		
SapI GCTCTTCN NNNNGAAGAGC	2	3287	4708	3497-3286		1035	218	4484-4701		
		3497	210	3287-3496		1147	193	91-283		
Sau3AI GATC	22	586	1209	4295-585		1222	189	3720-3908		
		846	1180	1600-2779		1276	173	4836-90		
		1364	518	846-1363		1548	160	2947-3106		
		1512	376	3360-3735		2479	125	910-1034		
		1550	359	3752-4110		2534	121	4715-4835		
		1600	311	2803-3113		2551	112	1035-1146		
		2780	260	586-845		2947	103	3909-4011		
		2784	148	1364-1511		3107	98	721-818		
		2803	81	3192-3272		3330	80	641-720		
		3114	78	3282-3359		3720	75	1147-1221		
		3192	78	4123-4200		3909	75	819-893		
		3273	78	3114-3191		4012	55	2479-2533		
		3282	75	4220-4294		4484	54	1222-1275		
		3360	50	1550-1599		4702	17	2534-2550		
		3736	38	1512-1549		4715	16	894-909		
		3752	19	2784-2802		4836	13	4702-4714		
		4111	16	3736-3751						
4123	12	4111-4122		SexAI	1	2532	4918	2532-2531		
4201	11	4209-4219		A CCWGGT						
4209	9	3273-3281		SfaNI	16	358	1183	3581-4763		
4220	8	4201-4208		GCATC NNNNN		626	763	1759-2521		
4295	4	2780-2783		NNNNNNNNNGATGC ...		963	512	4764-357		
Sau96 I G GNCC	14	84	1409	2050-3458		1241	404	1355-1758		
		277	961	4041-83		1256	337	626-962		
		659	529	1521-2049		1355	307	2594-2900		
		830	445	3459-3903		1759	278	963-1240		
		839	401	1037-1437		2522	268	358-625		
		1037	382	277-658		2594	255	2901-3155		
		1438	198	839-1036		2901	209	3372-3580		
		1521	193	84-276		3156	99	1256-1354		
		2050	171	659-829		3242	86	3156-3241		
						3306	72	2522-2593		
						3372	66	3306-3371		
				3581	64	3242-3305				
				4764	15	1241-1255				
Sfcl	6	652	2127	2278-4404						

Sites					Fragments			Sites					Fragments		
	Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends		
C TRYAG		775	1209	1069-2277		1250	294	914-1207							
		1069	974	4596-651		1379	273	2783-3055							
		2278	294	775-1068		2092	255	3670-3924							
		4405	191	4405-4595		2783	191	3434-3624							
		4596	123	652-774		3056	162	3272-3433							
Sfil	1	2718	4918	2718-2717		3212	156	3056-3211							
GGCCNNNN NGGCC						3236	129	1250-1378							
SnaBI	1	341	4918	341-340		3272	127	787-913							
TAC GTA						3434	45	3625-3669							
SphI	3	2513	4083	3348-2512		3625	36	3236-3271							
GCATG C		2585	763	2585-3347		3670	27	1208-1234							
		3348	72	2513-2584		3925	24	3212-3235							
						4763	15	1235-1249							
Sspl	2	1851	4365	2404-1850	TfiI	5	3428	3459	4887-3427						
AAT ATT		2404	553	1851-2403	G AWTC		3562	1178	3709-4886						
							3672	134	3428-3561						
							3709	110	3562-3671						
							4887	37	3672-3708						
StuI	1	2764	4918	2764-2763											
AGG CCT															
StyI	8	361	1809	863-2671	TseI	21	626	1024	4520-625						
C CWWGG		696	1499	3780-360	G CWGC		774	665	2238-2902						
		842	610	2765-3374			1023	519	1719-2237						
		863	405	3375-3779			1104	453	3567-4019						
		2672	335	361-695			1388	387	3180-3566						
		2765	146	696-841			1395	284	1104-1387						
		3375	93	2672-2764			1446	270	1449-1718						
		3780	21	842-862			1449	249	774-1022						
							1719	226	4020-4245						
							2238	206	4246-4451						
							2903	148	626-773						
							3004	101	2903-3003						
Tail	17	126	891	2171-3061			3046	93	3087-3179						
ACGT		138	881	4163-125			3087	81	1023-1103						
		179	781	3249-4029			3180	65	4455-4519						
		262	690	1316-2005			3567	51	1395-1445						
		343	484	448-931			4020	42	3004-3045						
		448	213	932-1144			4246	41	3046-3086						
		932	187	3062-3248			4452	7	1388-1394						
		1145	171	1145-1315			4455	3	4452-4454						
		1316	133	4030-4162			4520	3	1446-1448						
		2006	110	2061-2170											
		2018	105	343-447											
		2061	83	179-261	Tsp45 I	6	702	2251	3369-701						
		2171	81	262-342	GTSAC		1047	831	2232-3062						
		3062	43	2018-2060			1536	696	1536-2231						
		3249	41	138-178			2232	489	1047-1535						
		4030	12	126-137			3063	345	702-1046						
		4163	12	2006-2017			3369	306	3063-3368						
TaqI	17	787	942	4763-786	Tsp509 I	10	19	1674	19-1692						
T CGA		914	838	3925-4762	AATT		1693	1418	2683-4100						
		1208	713	1379-2091			1757	836	4101-18						
		1235	691	2092-2782			1835	647	1872-2518						

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends
			1861	92	2591-2682
			1872	78	1757-1834
			2519	72	2519-2590
			2591	64	1693-1756
			2683	26	1835-1860
			4101	11	1861-1871
<hr/>					
TspRI	7	798	1283	1789-3071	
CAGTGNN		1078	1250	4466-797	
CACTGNN		1789	1110	3072-4181	
		3072	711	1078-1788	
		4182	280	798-1077	
		4453	271	4182-4452	
		4466	13	4453-4465	
<hr/>					
Tth111 I	1	3061	4918	3061-3060	
GACN NNGTC					
<hr/>					
XbaI	1	1597	4918	1597-1596	
T CTAGA					

The following restriction enzymes do not cut pEYFP-Golgi:

AccI, AhdI, ApaI, AscI, Asp718 I, AvaI, BbsI, Bcl I, Bgl II, BlpI,

BsiWI, BsmBI, Bsp120 I, BssHII, Bst1107 I, BstEII, BstXI, Eco47 III,
EcoNI, EcoRI,

EcoRV, FseI, HindIII, KpnI, MluI, NruI, PacI, PflMI, PmeI, Pml I,

PpuMI, PshAI, Psp1406 I, PvuI, SacII, Sal I, ScaI, SgfI, SgrAI, SmaI,

SpeI, SrfI, Sse8387 I, SwaI, XcmI, XhoI, XmaI, XmnI.