

	Sites		Fragments			Sites		Fragments		
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends	
AatII GACGT C	4	126	4471	448-125						
		179	186	262-447		3337	27	2078-2104		
		262	83	179-261		3387	26	3403-3428		
		448	53	126-178		3403	21	508-528		
AccI GT MKAC	1	641	4793	641-640		3429	19	4519-4537		
						3485	16	3387-3402		
AclI C CGC G CGG	66	59	613	1465-2077		3554	14	2136-2149		
		87	306	652-957		3557	14	99-112		
		99	240	3052-3291		3623	12	2509-2520		
		113	234	3910-4143		3705	12	87-98		
		280	185	2303-2487		3770	12	2488-2499		
		371	167	113-279		3837	11	2531-2541		
		404	139	2588-2726		3910	10	2521-2530		
		508	138	1105-1242		4144	9	2500-2508		
		529	135	4153-4287		4153	9	4144-4152		
		590	127	4538-4664		4288	5	3332-3336		
		650	121	4398-4518		4398	4	1461-1464		
		652	113	1243-1355		4519	3	3049-3051		
		958	110	4288-4397		4538	3	3554-3556		
		999	104	404-507		4665	3	1416-1418		
		1066	101	2948-3048		4693	3	2133-2135		
		1105	94	2790-2883		4784	2	650-651		
		1243	91	4693-4783						
		1356	91	280-370		Afl II	1	1700	4793	1700-1699
		1416	82	3623-3704		C TTAAG				
		1419	73	3837-3909						
		1461	69	3485-3553		Afl III	1	4736	4793	4736-4735
		1465	68	4784-58		A CRYGT				
		2078	67	3770-3836						
		2105	67	999-1065		Agel	1	667	4793	667-666
		2133	66	3557-3622		A CCGGT				
		2136	65	3705-3769						
		2150	64	2884-2947		AluI	23	567	797	3382-4178
		2193	63	2240-2302		AG CT		619	788	4572-566
		2240	63	2727-2789				625	458	2924-3381
		2303	61	529-589				760	320	2604-2923
		2488	60	1356-1415				793	295	2021-2315
		2500	60	590-649				865	288	2316-2603
		2509	56	3429-3484				898	257	1764-2020
		2521	50	3337-3386				1114	257	4179-4435
		2531	47	2193-2239				1162	216	898-1113
		2542	46	2542-2587				1273	167	1597-1763
	2588	43	2150-2192				1347	150	1447-1596	
	2727	42	1419-1460				1447	135	625-759	
	2790	41	958-998				1597	111	1162-1272	
	2884	40	3292-3331				1764	100	1347-1446	
	2948	39	1066-1104				2021	90	4482-4571	
	3049	33	371-403				2316	74	1273-1346	
	3052	28	4665-4692				2604	72	793-864	
	3292	28	59-86				2924	52	567-618	
	3332	28	2105-2132				3382	48	1114-1161	
							4179	46	4436-4481	
							4436	33	760-792	
							4482	33	865-897	

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
	4572		6	619-624	AvrII	2	2640	3778	3655-2639
					C CTAGG		3655	1015	2640-3654
Alw26 I	5	435	1807	435-2241	BamHI	1	661	4793	661-660
GTCTCN		2242	1421	3807-434	G GATCC				
NNNNNGAGAC		2660	1019	2660-3678					
		3679	418	2242-2659	BanI	6	466	2407	2852-465
		3807	128	3679-3806	G YRCC		646	1196	775-1970
							775	846	1971-2816
AlwI	16	581	1253	1433-2685			1971	180	466-645
GGATCNNNN		656	1196	4178-580			2817	129	646-774
NNNNNGATCC		669	565	669-1233			2852	35	2817-2851
		1234	363	3243-3605					
		1433	358	3635-3992	BanII	5	621	1521	3893-620
		2686	311	2686-2996	GRGCY C		658	1351	658-2008
		2997	199	1234-1432			2009	1174	2009-3182
		3062	181	3062-3242			3183	710	3183-3892
		3243	96	3994-4089			3893	37	621-657
		3606	86	4092-4177					
		3635	75	581-655	BbeI	1	2821	4793	2821-2820
		3993	65	2997-3061	G GCGC C				
		3994	29	3606-3634					
		4090	13	656-668					
		4092	2	4090-4091	BbvI	19	885	1271	4407-884
		4178	1	3993-3993	GCAGCNNNNNNNN		991	665	2100-2764
AlwNI	2	3919	4385	4327-3918	NNNNNNNNNNNGCT.		1275	494	1606-2099
CAGNNN CTG		4327	408	3919-4326			1282	453	3454-3906
Apal	1	658	4793	658-657			1308	412	3042-3453
GGGCC C							1311	295	1311-1605
ApalI	1	4422	4793	4422-4421			1606	284	991-1274
G TGCAC							2100	206	4108-4313
Apol	4	630	3676	1747-629			2765	201	3907-4107
R AATTY		1632	1002	630-1631			2891	126	2765-2890
		1736	104	1632-1735			2933	106	885-990
		1747	11	1736-1746			2949	93	2949-3041
Asel	1	8	4793	8-7			3042	90	4317-4406
AT TAAT							3454	42	2891-2932
Asp718 I	1	646	4793	646-645			3907	26	1282-1307
G GTACC							4108	16	2933-2948
Aval	2	614	4750	657-613			4314	7	1275-1281
CYCGRG		657	43	614-656			4317	3	4314-4316
							4407	3	1308-1310
AvalI	4	727	1938	1396-3333	Bcgl	1	830	4793	830-829
G WCC		1396	1741	3779-726	GCANNNNNTCGNNNN...				
		3334	669	727-1395	NNNNNNNNNNCGANN...				
		3779	445	3334-3778					
					Bcgl	1	864	4793	864-863
					CGANNNNNTGCGNNNN...				
					NNNNNNNNNNGCANN...				
					Bfal	8	593	1143	4243-592
					C TAG		1473	1015	2641-3655
							1667	880	593-1472

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>			
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends		
			2085	556	2085-2640				3250	49	2591-2639		
			2641	418	1667-2084				3655	35	2547-2581		
			3656	334	3656-3989				3782	24	1071-1094		
			3990	253	3990-4242				3783	9	2582-2590		
			4243	194	1473-1666				3885	7	650-656		
Bgl I	4	91	2309	284	2592				3886	1	3885-3885		
GCCNNNN NGGC			213	2291	2593-90				4576	1	3782-3782		
			284	122	91-212			BsaWI	6	601	2182	667-2848	
			2593	71	213-283			W CCGGW			667	864	4530-600
Bgl II	1	610	4793	610	609				2849	844	2849-3692		
A GATCT									3693	690	3693-4382		
									4383	147	4383-4529		
BpmI	4	1184	2319	3658	1183				4530	66	601-666		
CTGGAGNNNNNNNNNN.424			2177	1424	3600			Bsc4 I	21	49	859	49-907	
NNNNNNNNNNNNNNNC.3601			240	1184	1423			CCNNNN NNGG			908	544	2798-3341
			3658	57	3601-3657				1071	408	1421-1828		
BsaAI	3	341	2012	3122	340				1421	392	2155-2546		
YAC GTR									1829	353	3904-4256		
			1934	1593	341-1933				2155	350	1071-1420		
			3122	1188	1934-3121				2547	326	1829-2154		
BsaBI	2	1480	3596	2677	1479				2798	281	3342-3622		
GATNN NNATC									3342	279	4257-4535		
									3623	251	2547-2797		
BsaHI	7	123	2373	445	2817				3655	166	4536-4701		
GR CGYC									3656	163	908-1070		
			176	1317	3599-122				3787	131	3656-3786		
			259	702	2818-3519				3822	122	4720-48		
			445	186	259-444				3872	50	3822-3871		
			2818	83	176-258				3873	35	3787-3821		
			3520	79	3520-3598				3904	32	3623-3654		
			3599	53	123-175				4257	31	3873-3903		
BsaI	1	3807	4793	3807	3806				4536	18	4702-4719		
GGTCTCN									4702	1	3872-3872		
NNNNNGAGACC									4720	1	3655-3655		
BsaJI	22	361	1202	1150	2351			BseRI	2	770	2927	2636-769	
C CNGG								GAGGAGNNNNNNNNNN.636		1866	770-2635		
			650	690	3886-4575			NNNNNNNNCTCCTC ...					
			657	578	4576-360			BsgI	2	868	4372	1289-867	
			768	405	3250-3654			GTGCAGNNNNNNNNNN.289		421	868-1288		
			908	341	2640-2980			NNNNNNNNNNNNNNNC...					
			1071	289	361-649			BsiEI	4	672	1675	2727-4401	
			1095	269	2981-3249			CGRY CG			1465	1262	1465-2726
			1150	163	908-1070				2727	1063	4402-671		
			2352	140	768-907				4402	793	672-1464		
			2424	127	3655-3781			BsiHKAI	4	621	2310	621-2930	
			2547	123	2424-2546			GWGCW C			2931	1305	3121-4425
			2582	111	657-767				3121	988	4426-620		
			2591	102	3783-3884								
			2640	72	2352-2423								
			2981	55	1095-1149								

Sites					Fragments				
		Number	Position	Length	Ends			Length	Ends
		4426		190	2931-3120			3893	62 3121-3182
								4426	37 621-657
BsII	21	50	859	50-908					
CCNNNNN NNGG		909	544	2799-3342					
		1072	408	1422-1829					
		1422	392	2156-2547					
		1830	353	3905-4257					
		2156	350	1072-1421					
		2548	326	1830-2155					
		2799	281	3343-3623					
		3343	279	4258-4536					
		3624	251	2548-2798					
		3656	166	4537-4702					
		3657	163	909-1071					
		3788	131	3657-3787					
		3823	122	4721-49					
		3873	50	3823-3872					
		3874	35	3788-3822					
		3905	32	3624-3655					
		4258	31	3874-3904					
		4537	18	4703-4720					
		4703	1	3873-3873					
		4721	1	3656-3656					
BsmFI	10	176	1839	495-2333					
GGGACNNNNNNNNNN ...327			1204	3765-175					
NNNNNNNNNNNNNNNG...495			532	2969-3500					
		2334	499	2470-2968					
		2406	168	327-494					
		2470	155	3610-3764					
		2969	151	176-326					
		3501	109	3501-3609					
		3610	72	2334-2405					
		3765	64	2406-2469					
BsmI	2	1569	4700	1662-1568					
GAATGCN		1662	93	1569-1661					
G CATTC									
Bsp120 I	1	654	4793	654-653					
G GCC									
Bsp1286 I	13	621	988	4426-620					
GDGCH C		658	851	1158-2008					
		780	755	2009-2763					
		909	710	3183-3892					
		1158	533	3893-4425					
		2009	249	909-1157					
		2764	190	2931-3120					
		2857	129	780-908					
		2931	122	658-779					
		3121	93	2764-2856					
		3183	74	2857-2930					
BspHI	2	2244	3021	4016-2243					
T CATGA		4016	1772	2244-4015					
BspLU11 I	1	4736	4793	4736-4735					
A CATGT									
BspMI	3	2705	3962	3536-2704					
ACCTGCNNNN		3086	450	3086-3535					
NNNNNNNNNGCAGGT ...3536			381	2705-3085					
BsrBI	4	2078	3386	3485-2077					
GAG CGG		2242	1189	2242-3430					
CCG CTC		3431	164	2078-2241					
		3485	54	3431-3484					
BsrDI	1	3051	4793	3051-3050					
GCAATGNN									
CATTGC									
BsrFI	6	667	1859	3601-666					
R CCGGY		890	1145	890-2034					
		2035	1102	2035-3136					
		3137	283	3318-3600					
		3318	223	667-889					
		3601	181	3137-3317					
BsrGI	1	1449	4793	1449-1448					
T GTACA									
BsrI	9	296	1246	2963-4208					
ACTGGN		1351	1055	296-1350					
C CAGT		1847	755	4334-295					
		2525	678	1847-2524					
		2762	496	1351-1846					
		2963	237	2525-2761					
		4209	201	2762-2962					
		4321	112	4209-4320					
		4334	13	4321-4333					
BssKI	24	89	931	1421-2351					
CCNNGG		282	472	3885-4356					
		656	396	2424-2819					
		657	390	3203-3592					
		767	374	282-655					
		783	272	1149-1420					
		908	223	2980-3202					
		1020	218	4357-4574					
		1095	193	89-281					
		1149	189	3593-3781					
		1421	173	4709-88					

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends
			2352	160	2820-2979				2118	318	1068-1385
			2407	125	783-907				2138	301	2884-3184
			2424	121	4588-4708				2162	275	1467-1741
			2820	112	908-1019				2193	273	3839-4111
			2980	110	657-766				2884	161	4693-60
			3203	103	3782-3884				3185	84	3623-3706
			3593	75	1020-1094				3623	81	1386-1466
			3782	55	2352-2406				3707	69	3770-3838
			3885	54	1095-1148				3770	63	3707-3769
			4357	17	2407-2423				3839	31	2162-2192
			4575	16	767-782				4112	24	2138-2161
			4588	13	4575-4587				4693	20	2118-2137
			4709	1	656-656						
BssSI		4	920	2490	920-3409	BstYI		11	586	1750	1239-2988
C ACGAG			3410	1150	4563-919	R GATCY			610	1284	4095-585
C TCGTG			3536	1027	3536-4562				661	578	661-1238
			4563	126	3410-3535				1239	392	3235-3626
BstBI		2	628	2872	628-3499				2989	359	3627-3985
TT CGAA			3500	1921	3500-627				3235	246	2989-3234
BstF5 I		7	780	1959	3614-779				3627	86	3998-4083
GGATGNN			1146	1358	1146-2503				3986	51	610-660
CATCC			2504	457	2678-3134				3998	24	586-609
			2678	454	3160-3613				4084	12	3986-3997
			3135	366	780-1145				4095	11	4084-4094
			3160	174	2504-2677	Bsu36 I		2	2298	3161	3930-2297
			3614	25	3135-3159	CC TNAGG			3930	1632	2298-3929
BstNI		16	91	1203	1151-2353	Cac8 I		35	87	762	1275-2036
CC WGG			284	779	2426-3204	GCN NGC			280	560	4126-4685
			785	690	3887-4576				594	314	280-593
			910	579	3205-3783				654	310	958-1267
			1022	501	284-784				863	283	3320-3602
			1097	193	91-283				896	273	2094-2366
			1151	173	4711-90				944	254	2458-2711
			2354	125	785-909				958	219	2898-3116
			2409	121	4590-4710				1268	211	3915-4125
			2426	112	910-1021				1275	209	654-862
			3205	103	3784-3886				2037	193	87-279
			3784	75	1022-1096				2080	187	3603-3789
			3887	55	2354-2408				2094	186	2712-2897
			4577	54	1097-1150				2367	157	4723-86
			4590	17	2409-2425				2386	66	3117-3182
			4711	13	4577-4589				2439	60	594-653
BstUI		18	61	691	2193-2883				2458	56	3837-3892
CG CG			652	591	61-651				2712	54	3266-3319
			1068	581	4112-4692				2898	53	2386-2438
			1386	438	3185-3622				3117	48	896-943
			1467	416	652-1067				3183	47	3790-3836
			1742	376	1742-2117				3189	43	2037-2079
									3217	41	3221-3261
									3221	37	4686-4722
									3262	33	863-895

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>							
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends						
			4262	8	2743-2750												
			4327	8	2596-2603												
			4406	7	3891-3897												
			4431	7	3884-3890												
			4436	6	619-624												
			4482	6	2581-2586												
			4572	6	936-941												
			4670	6	2639-2644												
			4696	5	4431-4435												
			4714	4	3318-3321												
			4725	4	2896-2899												
Ddel C TNAG	9	607	938	4462-606			DrdI	3	1889	2048	4634-1888						
		1343	937	1361-2297					2845	1789	2845-4633						
		1361	881	2600-3480					4634	956	1889-2844						
		2298	736	607-1342				DsaI	4	361	1904	3250-360					
		2600	449	3481-3929						650	1897	650-2546					
		3481	409	4053-4461						2547	703	2547-3249					
		3930	302	2298-2599					3250	289	361-649						
		4053	123	3930-4052				EaeI	7	811	2288	3316-810					
		4462	18	1343-1360						1200	1262	1462-2723					
							1462		391	2898-3288							
							2724		389	811-1199							
							2898		262	1200-1461							
Dpnl GA TC	24	588	1209	4172-587			EagI	2	1462	3531	2724-1461						
		612	1180	1477-2656						2724	1262	1462-2723					
		663	504	737-1240					EarI	3	2285	3706	3372-2284				
		737	376	3237-3612								3162	877	2285-3161			
		1241	359	3629-3987								3372	210	3162-3371			
		1389	311	2680-2990					Ecl136 II	1	619	4793	619-618				
		1427	148	1241-1388													
		1477	81	3069-3149					Eco47 III	1	597	4793	597-596				
		2657	78	2991-3068													
		2661	78	4000-4077					Eco57 I	5	893	1828	1136-2963				
		2680	78	3159-3236											1492	4194-892	
		2991	75	4097-4171											798	3396-4193	
		3069	74	663-736											3396	432	2964-3395
		3150	51	612-662						4194	243	893-1135					
		3159	50	1427-1476					EcoO109 I	1	3916	4793	3916-3915				
		3237	38	1389-1426													
		3613	24	588-611					EcoRI	1	630	4793	630-629				
		3629	19	2661-2679													
		3988	16	3613-3628					EcoRII	16	89	1203	1149-2351				
		4000	12	3988-3999											282	779	2424-3202
		4078	11	4086-4096											783	690	3885-4574
		4086	9	3150-3158											908	579	3203-3781
		4097	8	4078-4085											1020	501	282-782
		4172	4	2657-2660											1095	193	89-281
						1149	173	4709-88									
						2352	125	783-907									
						2407	121	4588-4708									
						2424	112	908-1019									
DraI TTT AAA	3	1520	2442	1520-3961													
		3962	2332	3981-1519													
		3981	19	3962-3980													
DraIII CACNNN GTG	1	1934	4793	1934-1933													

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		3203	103	3782-3884			3429	15	3896-3910
		3782	75	1020-1094			3443	14	3429-3442
		3885	55	2352-2406			3557	14	2136-2149
		4575	54	1095-1148			3896	11	2779-2789
		4588	17	2407-2423			3911	7	1264-1270
		4709	13	4575-4587			4122	5	2880-2884
Ehel	1	2819	4793	2819-2818			4328	3	1322-1324
GGC GCC							4331	3	1462-1464
							4396	3	3053-3055
							4539	3	3050-3052
							4694	3	4328-4330
Faul	16	94	1043	3844-93	FokI	7	767	1939	3621-766
CCC GCNNNN		120	998	1073-2070	GGATGNNNNNNNNNN ...1133		1358	1133	1133-2490
NNNNNNNGCGGG		287	537	2941-3477	NNNNNNNNNNNNNCA2491		457	2685	2685-3141
		645	425	2516-2940			2685	454	3167-3620
		965	358	287-644			3142	366	767-1132
		1073	355	2140-2494			3167	194	2491-2684
		2071	320	645-964			3621	25	3142-3166
		2140	167	120-286					
		2495	138	3478-3615	FspI	1	2920	4793	2920-2919
		2516	108	965-1072	TGC GCA				
		2941	96	3616-3711					
		3478	81	3763-3843					
		3616	69	2071-2139					
		3712	51	3712-3762					
		3763	26	94-119					
		3844	21	2495-2515					
Fnu4HI	37	899	998	4694-898					
GC NGC		980	519	1595-2113					
		1264	438	2150-2587					
		1271	339	3557-3895					
		1322	284	980-1263					
		1325	236	3056-3291					
		1419	211	3911-4121					
		1462	206	4122-4327					
		1465	155	4539-4693					
		1595	143	4396-4538					
		2114	139	2588-2726					
		2136	130	1465-1594					
		2150	114	3443-3556					
		2588	96	3292-3387					
		2727	94	1325-1418					
		2779	90	2790-2879					
		2790	87	2963-3049					
		2880	81	899-979					
		2885	65	4331-4395					
		2922	52	2727-2778					
		2963	51	1271-1321					
		3050	43	1419-1461					
		3053	41	3388-3428					
		3056	41	2922-2962					
		3292	37	2885-2921					
		3388	22	2114-2135					
					HaeIII	26	85	655	1926-2580
					GG CC		278	509	3318-3826
							656	434	4262-4695
							813	391	2900-3290
							913	378	278-655
							942	345	3917-4261
							1202	320	1464-1783
							1314	260	942-1201
							1464	193	85-277
							1784	174	2726-2899
							1926	157	656-812
							2581	153	4725-84
							2587	150	1314-1463
							2596	142	1784-1925
							2639	112	1202-1313
							2726	100	813-912
							2900	87	2639-2725
							3291	57	3827-3883
							3318	43	2596-2638
							3827	33	3884-3916
							3884	29	913-941
							3917	27	3291-3317
							4262	18	4696-4713
							4696	11	4714-4724

Sites					Fragments				
		Number	Position	Length	Ends			Length	Ends
		4714		9	2587-2595			26	2090-2115
		4725		6	2581-2586			22	2116-2137
								13	2147-2159
								9	2138-2146
								8	2082-2089
								8	2810-2817
Hgal		6	527	1624	527-2150	HincII		2	642 3854
GACGCNNNNN			2151	1377	2151-3527	GTY RAC			1581 939
NNNNNNNNNNGCGTC			3528	696	4624-526				
			3607	578	4046-4623				
			4046	439	3607-4045				
			4624	79	3528-3606				
Hhal		24	598	829	4562-597	HindIII		1	623 4793
GCG C			1029	698	1386-2083	A AGCTT			
			1070	619	2193-2811				
			1386	431	598-1028	HinfI		13	411 1010
			2084	403	3709-4111	G ANTC			605 864
			2092	316	1070-1385				1469 782
			2118	266	2921-3186				1861 442
			2140	260	3187-3446				1883 410
			2149	176	3447-3622				2293 396
			2162	174	4221-4394				3303 392
			2193	109	4112-4220				3437 194
			2812	100	4395-4494				411-604
			2820	86	3623-3708				3489 134
			2884	67	4495-4561				3303-3436
			2921	64	2820-2883				3547 58
			3187	41	1029-1069				3489-3546
			3447	37	2884-2920				3584 52
			3623	31	2162-2192				4366 37
			3709	26	2092-2117				4762 22
			4112	22	2118-2139	HpaI		1	1581 4793
			4221	13	2149-2161	GTT AAC			
			4395	9	2140-2148				
			4495	8	2084-2091				
			4562	8	2812-2819				
HinP1 I		24	596	829	4560-595	HpaII		23	602 864
G CGC			1027	698	1384-2081	C CGG			658 687
			1068	619	2191-2809				668 614
			1384	431	596-1026				768 531
			2082	403	3707-4109				831 474
			2090	316	1068-1383				891 275
			2116	266	2919-3184				1422 190
			2138	260	3185-3444				2036 181
			2147	176	3445-3620				2723 147
			2160	174	4219-4392				2800 131
			2191	109	4110-4218				2822 100
			2810	100	4393-4492				2850 92
			2818	86	3621-3706				2981 90
			2882	67	4493-4559				2981-3070
			2919	64	2818-2881				3071 77
			3185	41	1027-1067				2723-2799
			3445	37	2882-2918				3138 67
			3621	31	2160-2190				3319 63
									768-830
									3594 60
									831-890
									3602 56
									602-657
									3694 28
									2822-2849
									4168 26
									4358-4383
									4358 22
									2800-2821
									4384 10
									658-667
									4531 8
									3594-3601

		<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>				
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends			
HphI GGTGANNNNNNNN NNNNNNNTCACC	10	377	1165	4005-376	NNNNNNNTCTTC	1027	849	1225-2073	NNNNNNNTCTTC	1027	849	1225-2073		
		754	1061	1935-2995		1030	274	708-981		1030	274	708-981		
		757	893	2996-3888		1225	228	2074-2301		1225	228	2074-2301		
		1087	695	1240-1934		2074	210	3179-3388		2074	210	3179-3388		
		1111	377	377-753		2302	200	3636-3835		2302	200	3636-3835		
		1240	330	757-1086		3179	195	1030-1224		3179	195	1030-1224		
		1935	129	1111-1239		3389	172	3836-4007		3389	172	3836-4007		
		2996	116	3889-4004		3469	167	3469-3635		3469	167	3469-3635		
		3889	24	1087-1110		3636	80	3389-3468		3636	80	3389-3468		
		4005	3	754-756		3836	71	4008-4078		3836	71	4008-4078		
KasI GCGCC	1	2817	4793	2817-2816	4008	45	982-1026	4008	45	982-1026				
					4079	3	1027-1029	4079	3	1027-1029				
KpnI GGTAC C	1	650	4793	650-649	MfeI C AATTG									
					1	1568	4793	1568-1567	1	1568	4793	1568-1567		
MaeII A CGT	17	123	891	2043-2933	MnI CCTC NNNNNN NNNNNNNGAGG	33	542	702	4633-541	MnI CCTC NNNNNN NNNNNNNGAGG	33	542	702	4633-541
		135	881	4035-122		718	416	1546-1961	718		416	1546-1961		
		176	781	3121-3901		748	370	3939-4308	748		370	3939-4308		
		259	690	1188-1877		829	357	2869-3225	829		357	2869-3225		
		340	359	445-803		835	331	1962-2292	835		331	1962-2292		
		445	213	804-1016		929	283	3656-3938	929		283	3656-3938		
		804	187	2934-3120		1066	278	2293-2570	1066		278	2293-2570		
		1017	171	1017-1187		1078	250	4309-4558	1078		250	4309-4558		
		1188	133	3902-4034		1129	248	1249-1496	1129		248	1249-1496		
		1878	110	1933-2042		1249	206	3419-3624	1249		206	3419-3624		
		1890	105	340-444		1497	193	3226-3418	1497		193	3226-3418		
		1933	83	176-258		1537	176	542-717	1537		176	542-717		
		2043	81	259-339		1546	137	929-1065	1546		137	929-1065		
		2934	43	1890-1932		1962	136	2733-2868	1962		136	2733-2868		
		3121	41	135-175		2293	120	1129-1248	2293		120	1129-1248		
		3902	12	123-134		2571	94	835-928	2571		94	835-928		
		4035	12	1878-1889		2577	81	748-828	2577		81	748-828		
MaeIII GTNAC	14	62	819	2119-2937	2601	74	4559-4632	2601	74	4559-4632				
		149	690	3244-3933	2607	64	2669-2732	2607	64	2669-2732				
		498	501	1606-2106	2614	51	1078-1128	2614	51	1078-1128				
		922	489	922-1410	2617	40	2629-2668	2617	40	2629-2668				
		1411	476	4379-61	2629	40	1497-1536	2629	40	1497-1536				
		1606	424	498-921	2669	31	3625-3655	2669	31	3625-3655				
		2107	349	149-497	2733	30	718-747	2733	30	718-747				
		2119	306	2938-3243	2869	24	2577-2600	2869	24	2577-2600				
		2938	266	3934-4199	3226	12	2617-2628	3226	12	2617-2628				
		3244	195	1411-1605	3419	12	1066-1077	3419	12	1066-1077				
		3934	116	4200-4315	3625	9	1537-1545	3625	9	1537-1545				
		4200	87	62-148	3656	7	2607-2613	3656	7	2607-2613				
		4316	63	4316-4378	3939	6	2601-2606	3939	6	2601-2606				
		4379	12	2107-2118	4309	6	2571-2576	4309	6	2571-2576				
MboII GAAGANNNNNNNN	14	708	1422	4079-707	MscI TGG CCA									
		982	877	2302-3178	1	2900	4793	2900-2899	1	2900	4793	2900-2899		

Sites					Fragments								
		Number	Position	Length	Ends			Number	Position	Length	Ends		
			2692	91	2460-2550			4789	72	2386-2457			
			3037	72	2388-2459								
			3223	60	305-364			PstI	2	639	4484 948-638		
			3254	60	682-741			CTGCA G		948	309 639-947		
			3280	51	4740-4790								
			3636	45	1396-1440			PvuII	2	2316	4185 2924-2315		
			4020	31	3223-3253			CAG CTG		2924	608 2316-2923		
			4740	30	976-1005								
			4791	26	3254-3279			RsaI	10	220	1889 3124-219		
								GT AC		245	1673 1451-3123		
NlaIV GGN NCC	19		468	848	2854-3701					300	521 648-1168		
			648	843	3826-4668					333	282 1169-1450		
			656	658	1315-1972					384	157 384-540		
			663	553	4708-467					541	107 541-647		
			777	538	777-1314					648	55 245-299		
			1315	389	2430-2818					1169	51 333-383		
			1973	191	2006-2196					1451	33 300-332		
			1994	180	468-647					3124	25 220-244		
			2006	161	2197-2357								
			2197	114	663-776					RsrII	1	3334	4793 3334-3333
			2358	79	3702-3780					CG WCCG			
			2430	72	2358-2429								
			2819	45	3781-3825					SacI	1	621	4793 621-620
			2854	39	4669-4707					GAGCT C			
			3702	35	2819-2853								
			3781	21	1973-1993					SacII	1	653	4793 653-652
			3826	12	1994-2005					CCG GG			
			4669	8	648-655								
			4708	7	656-662					Sal I	1	640	4793 640-639
								G TCGAC					
NotI GC GCCCGC	1		1462	4793	1462-1461			SapI	2	3162	4583 3372-3161		
								GCTCTTCN		3372	210 3162-3371		
								NNNNGAAGAGC					
NsiI ATGCA T	3		2390	2390	4793-2389								
			2462	2331	2462-4792								
			4793	72	2390-2461								
NspI RCATG Y	4		2388	2441	4740-2387			Sau3AI	24	586	1209 4170-585		
			2460	1517	3223-4739			GATC		610	1180 1475-2654		
			3223	763	2460-3222					661	504 735-1238		
			4740	72	2388-2459					735	376 3235-3610		
PleI GAGTCNNNN NNNNGACTC	8		405	1182	2301-3482					1239	359 3627-3985		
			599	877	3483-4359					1387	311 2678-2988		
			1463	864	599-1462					1425	148 1239-1386		
			1869	838	4360-404					1475	81 3067-3147		
			1877	424	1877-2300					2655	78 2989-3066		
			2301	406	1463-1868					2659	78 3998-4075		
			3483	194	405-598					2678	78 3157-3234		
			4360	8	1869-1876					2989	75 4095-4169		
										3067	74 661-734		
Ppu10 I A TGCAT	3		2386	2390	4789-2385					3148	51 610-660		
			2458	2331	2458-4788					3157	50 1425-1474		
										3235	38 1387-1424		
								3611	24 586-609				
								3627	19 2659-2677				

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
		3986	16	3611-3626			1131	480	358-837
		3998	12	3986-3997			1230	404	1230-1633
		4076	11	4084-4094			1634	307	2469-2775
		4084	9	3148-3156			2397	278	838-1115
		4095	8	4076-4083			2469	255	2776-3030
		4170	4	2655-2658			2776	209	3247-3455
Sau96 I	14	84	1409	1925-3333			3031	99	1131-1229
G GNCC		277	961	3916-83			3117	86	3031-3116
		654	529	1396-1924			3181	72	2397-2468
		655	445	3334-3778			3247	66	3181-3246
		727	401	912-1312			3456	64	3117-3180
		912	377	277-653			4639	15	1116-1130
		1313	193	84-276	Sfcl	5	635	2127	2153-4279
		1396	185	727-911	C TRYAG		944	1209	944-2152
		1925	83	1313-1395			2153	957	4471-634
		3334	72	655-726			4280	309	635-943
		3779	58	3825-3882			4471	191	4280-4470
		3825	46	3779-3824					
		3883	33	3883-3915	Sfil	1	2593	4793	2593-2592
		3916	1	654-654	G GCCNNNN NGGCC				
ScrFI	24	91	931	1423-2353	SmaI	1	659	4793	659-658
CC NGG		284	472	3887-4358	CC GGG				
		658	396	2426-2821					
		659	390	3205-3594	SnaBI	1	341	4793	341-340
		769	374	284-657	TAC GTA				
		785	272	1151-1422					
		910	223	2982-3204	SphI	3	2388	3958	3223-2387
		1022	218	4359-4576	GCATG C		2460	763	2460-3222
		1097	193	91-283			3223	72	2388-2459
		1151	189	3595-3783					
		1423	173	4711-90	Sspl	2	1726	4240	2279-1725
		2354	160	2822-2981	AAT ATT		2279	553	1726-2278
		2409	125	785-909					
		2426	121	4590-4710	StuI	1	2639	4793	2639-2638
		2822	112	910-1021	AGG CCT				
		2982	110	659-768					
		3205	103	3784-3886	StyI	5	361	2186	361-2546
		3595	75	1022-1096	C CWGG		2547	1499	3655-360
		3784	55	2354-2408			2640	610	2640-3249
		3887	54	1097-1150			3250	405	3250-3654
		4359	17	2409-2425			3655	93	2547-2639
		4577	16	769-784					
		4590	13	4577-4589	Tail	17	126	891	2046-2936
		4711	1	658-658	ACGT		138	881	4038-125
SexAI	1	2407	4793	2407-2406			179	781	3124-3904
A CCWGGT							262	690	1191-1880
							343	359	448-806
							448	213	807-1019
SfaNI	15	358	1183	3456-4638			807	187	2937-3123
GCATC NNNNN		838	763	1634-2396			1020	171	1020-1190
NNNNNNNNNGATGC ...		1116	512	4639-357			1191	133	3905-4037

					Sites					Fragments				
					Number	Position	Length	Ends						
					1881	110	1936-2045							
					1893	105	343-447							
					1936	83	179-261							
					2046	81	262-342							
					2937	43	1893-1935							
					3124	41	138-178							
					3905	12	126-137							
					4038	12	1881-1892							
					4395					3 1321-1323				
					Tsp45 I	5	922	2471	3244-921					
					GTSAC		1411	831	2107-2937					
							2107	696	1411-2106					
							2938	489	922-1410					
							3244	306	2938-3243					
					Tsp509 I	11	19	1418	2558-3975					
					AATT		630	938	630-1567					
							1568	836	3976-18					
							1632	647	1747-2393					
							1710	611	19-629					
							1736	92	2466-2557					
							1747	78	1632-1709					
							2394	72	2394-2465					
							2466	64	1568-1631					
							2558	26	1710-1735					
							3976	11	1736-1746					
					TspRI	6	953	1405	4341-952					
					CAGTGNN		1664	1283	1664-2946					
					CACTGNN		2947	1110	2947-4056					
							4057	711	953-1663					
							4328	271	4057-4327					
							4341	13	4328-4340					
					Tth111 I	1	2936	4793	2936-2935					
					GACN NNGTC									
					Xbal	1	1472	4793	1472-1471					
					T CTAGA									
					XhoI	1	614	4793	614-613					
					C TCGAG									
					XmaI	1	657	4793	657-656					
					C CCGGG									
					TaqI	19	615	838	3800-4637					
					T CGA		628	770	4638-614					
							641	713	1254-1966					
							789	691	1967-2657					
							1083	294	789-1082					
							1110	273	2658-2930					
							1125	255	3545-3799					
							1254	191	3309-3499					
							1967	162	3147-3308					
							2658	156	2931-3086					
							2931	148	641-788					
							3087	129	1125-1253					
							3111	45	3500-3544					
							3147	36	3111-3146					
							3309	27	1083-1109					
							3500	24	3087-3110					
							3545	15	1110-1124					
							3800	13	615-627					
							4638	13	628-640					
					TfiI	5	3303	3334	4762-3302					
					G AWTC		3437	1178	3584-4761					
							3547	134	3303-3436					
							3584	110	3437-3546					
							4762	37	3547-3583					
					TseI	19	898	1296	4395-897					
					G CWGC		979	665	2113-2777					
							1263	519	1594-2112					
							1270	453	3442-3894					
							1321	387	3055-3441					
							1324	284	979-1262					
							1594	270	1324-1593					
							2113	226	3895-4120					
							2778	206	4121-4326					
							2879	101	2778-2878					
							2921	93	2962-3054					
							2962	81	898-978					
							3055	65	4330-4394					
							3442	51	1270-1320					
							3895	42	2879-2920					
							4121	41	2921-2961					
							4327	7	1263-1269					
							4330	3	4327-4329					

The following restriction enzymes do not cut pEYFP-Mem:

AhdI, AscI, BbsI, Bcl I, BlpI, BsiWI, BsmBI, BspEI, BssHII, Bst1107 I,
BstEII, BstXI, EcoNI, EcoRV, FseI, MluI, NruI, PacI, PflMI, PmeI,
Pml I, PpuMI, PshAI, Psp1406 I, PvuI, ScaI, SgfI, SgrAI, SpeI, SrfI,
Sse8387 I, SwaI, XcmI, XmnI.