

Sites					Fragments						
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends		
AatII GACGT C	4	126	5723	448-125			4639	28	3357-3384		
		179	186	262-447			4655	27	3330-3356		
		262	83	179-261			4681	26	4655-4680		
		448	53	126-178			4737	21	508-528		
AccI GT MKAC	2	1551	5637	1959-1550			4806	19	5771-5789		
		1959	408	1551-1958			4809	16	4639-4654		
AclI C CGC G CGG	65	59	1193	2137-3329			4875	14	3388-3401		
		87	435	1597-2031			4957	14	99-112		
		99	304	1293-1596			5022	12	3761-3772		
		113	242	590-831			5089	12	87-98		
		280	240	4304-4543			5162	12	3740-3751		
		371	234	5162-5395			5396	11	3783-3793		
		404	185	3555-3739			5405	10	3773-3782		
		508	167	113-279			5540	9	3752-3760		
		529	139	3840-3978			5650	9	5396-5404		
		590	138	979-1116			5771	5	4584-4588		
		832	135	5405-5539			5790	3	3385-3387		
		873	127	5790-5916			5917	3	4806-4808		
		940	121	5650-5770			5945	3	1290-1292		
		979	113	1117-1229			6036	3	4301-4303		
		1117	110	5540-5649							
		1230	105	2032-2136			Afl II	1	2952	6045	2952-2951
		1290	104	404-507			C TTAAG				
		1293	101	4200-4300							
		1597	94	4042-4135			Afl III	1	5988	6045	5988-5987
		2032	91	280-370			A CRYGT				
		2137	91	5945-6035							
		3330	82	4875-4956			AgeI	2	601	4910	1736-600
		3357	73	5089-5161			A CCGGT		1736	1135	601-1735
		3385	69	4737-4805							
		3388	68	6036-58							
		3402	67	5022-5088			AluI	30	567	797	4634-5430
		3445	67	873-939			AG CT		634	788	5824-566
		3492	66	4809-4874					667	458	4176-4633
		3555	65	4957-5021					739	381	2468-2848
		3740	64	4136-4199					772	320	3856-4175
		3752	63	3492-3554					988	317	1886-2202
		3761	63	3979-4041					1036	295	3273-3567
		3773	61	529-589					1147	288	3568-3855
		3783	60	1230-1289					1221	265	2203-2467
		3794	56	4681-4736					1321	257	5431-5687
		3840	50	4589-4638					1414	257	3016-3272
		3979	47	3445-3491					1603	216	772-987
		4042	46	3794-3839					1621	189	1414-1602
		4136	43	3402-3444					1720	167	2849-3015
		4200	41	832-872					1767	111	1036-1146
		4301	40	4544-4583					1846	100	1221-1320
		4304	39	940-978					1886	99	1621-1719
		4544	33	371-403					2203	93	1321-1413
		4584	28	5917-5944					2468	90	5734-5823
		4589	28	59-86					2849	79	1767-1845
							3016	74	1147-1220		
							3273	72	667-738		
							3568	67	567-633		

Sites					Fragments					
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends	
		3856	48	988-1035						
		4176	47	1720-1766						
		4634	46	5688-5733						
		5431	40	1846-1885						
		5688	33	739-771						
		5734	33	634-666						
		5824	18	1603-1620						
Alw26 I GTCTCN NNNNNGAGAC					AvaII		5	1270	2284	5031-1269
					G GWCC			1705	2065	2521-4585
								2521	816	1705-2520
								4586	445	4586-5030
								5031	435	1270-1704
Alw26 I GTCTCN NNNNNGAGAC					AvrII		2	3892	5030	4907-3891
					C CTAGG			4907	1015	3892-4906
					BamHI		1	2705	6045	2705-2704
					G GATCC					
AlwI GGATCNNNN NNNNNGATCC					BamI		9	466	2407	4104-465
					G GYRCC			649	940	649-1588
								1589	846	3223-4068
								2125	789	2434-3222
								2385	536	1589-2124
								2434	260	2125-2384
								3223	183	466-648
								4069	49	2385-2433
								4104	35	4069-4103
AlwI GGATCNNNN NNNNNGATCC					BamII		7	1416	2316	5145-1415
					GRGCY C			1899	1174	3261-4434
								2089	746	2515-3260
								2515	710	4435-5144
								3261	483	1416-1898
								4435	426	2089-2514
								5145	190	1899-2088
AlwNI CAGNNN CTG					BbeI		1	4073	6045	4073-4072
					GGCGC C					
AlwNI CAGNNN CTG					BbsI		1	1733	6045	1733-1732
					GAAGACNN					
					NNNNNNGTCTTC					
ApaLI G TGCAC					BbvI		25	759	1145	5659-758
					GCAGCNNNNNNNNN			865	665	3352-4016
					NNNNNNNNNNNNNGCT			1149	649	1630-2278
								1156	494	2858-3351
ApoI R AATTY								1182	453	4706-5158
								1185	445	1185-1629
								1630	412	4294-4705
								1630	284	865-1148
								2279	247	2611-2857
								2323	235	2376-2610
AseI AT TAAT								2376	206	5360-5565
								2611	201	5159-5359
								2858	126	4017-4142
								3352	106	759-864
AvaI C YCGRG								4017	93	4201-4293

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		4143	90	5569-5658			4374	614	2572-3185
		4185	53	2323-2375					
		4201	44	2279-2322					
		4294	42	4143-4184					
		4706	26	1156-1181					
		5159	16	4185-4200					
		5360	7	1149-1155					
		5566	3	1182-1184					
		5569	3	5566-5568					
		5659							
Bcgl	1	704	6045	704-703	BsaBI	2	2732	4848	3929-2731
GCANNNNNNTCGNNNN...					GATNN NNATC				
NNNNNNNNNNCGANN...					3929				
					1197				
					2732-3928				

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		4945	690	4945-5634	CCNNNNN NNGG		783	544	4051-4594
		5635	405	1331-1735			946	466	1807-2272
		5782	147	5635-5781			1296	447	2635-3081
Bsc4 I	27	49	733	49-781					
CCNNNNN NNGG		782	544	4050-4593					
		945	466	1806-2271					
		1295	447	2634-3080					
		1701	406	1295-1700					
		1806	392	3407-3798					
		2272	353	5156-5508					
		2376	350	945-1294					
		2454	326	3081-3406					
		2634	281	4594-4874					
		3081	279	5509-5787					
		3407	251	3799-4049					
		3799	180	2454-2633					
		4050	166	5788-5953					
		4594	163	782-944					
		4875	131	4908-5038					
		4907	122	5972-48					
		4908	105	1701-1805					
		5039	104	2272-2375					
		5074	78	2376-2453					
		5124	50	5074-5123					
		5125	35	5039-5073					
		5156	32	4875-4906					
		5509	31	5125-5155					
		5788	18	5954-5971					
		5954	1	4907-4907					
		5972	1	5124-5124					
BseRI	4	644	2801	3888-643					
GAGGAGNNNNNNNNNN		1494	1228	2660-3887					
NNNNNNNNCTCCTC ...		2660	1166	1494-2659					
		3888	850	644-1493					
BsgI	2	742	5624	1163-741					
GTGCAGNNNNNNNNNN		1163	421	742-1162					
NNNNNNNNNNNNNNNC...									
BsiEI	3	606	3373	606-3978					
CGRY CG		3979	1675	3979-5653					
		5654	997	5654-605					
BsiHKAI	6	1416	2245	1938-4182					
GWGCW C		1736	1783	5678-1415					
		1938	1305	4373-5677					
		4183	320	1416-1735					
		4373	202	1736-1937					
		5678	190	4183-4372					
BsII	27	50	733	50-782					

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		783	544	4051-4594	CCNNNNN NNGG		783	544	4051-4594
		946	466	1807-2272			946	466	1807-2272
		1296	447	2635-3081			1296	447	2635-3081
		1702	406	1296-1701			1702	406	1296-1701
		1807	392	3408-3799			1807	392	3408-3799
		2273	353	5157-5509			2273	353	5157-5509
		2377	350	946-1295			2377	350	946-1295
		2455	326	3082-3407			2455	326	3082-3407
		2635	281	4595-4875			2635	281	4595-4875
		3082	279	5510-5788			3082	279	5510-5788
		3408	251	3800-4050			3408	251	3800-4050
		3800	180	2455-2634			3800	180	2455-2634
		4051	166	5789-5954			4051	166	5789-5954
		4595	163	783-945			4595	163	783-945
		4876	131	4909-5039			4876	131	4909-5039
		4908	122	5973-49			4908	122	5973-49
		4909	105	1702-1806			4909	105	1702-1806
		5040	104	2273-2376			5040	104	2273-2376
		5075	78	2377-2454			5075	78	2377-2454
		5125	50	5075-5124			5125	50	5075-5124
		5126	35	5040-5074			5126	35	5040-5074
		5157	32	4876-4907			5157	32	4876-4907
		5510	31	5126-5156			5510	31	5126-5156
		5789	18	5955-5972			5789	18	5955-5972
		5955	1	4908-4908			5955	1	4908-4908
		5973	1	5125-5125			5973	1	5125-5125
BsmBI	2	1505	5730	1820-1504					
CGTCTCN		1820	315	1505-1819					
NNNNNGAGACG									
BsmFI	10	176	3091	495-3585					
GGGACNNNNNNNNNN ...		327	1204	5017-175					
NNNNNNNNNNNNNNNG...		495	532	4221-4752					
		3586	499	3722-4220					
		3658	168	327-494					
		3722	155	4862-5016					
		4221	151	176-326					
		4753	109	4753-4861					
		4862	72	3586-3657					
		5017	64	3658-3721					
BsmI	2	2821	5952	2914-2820					
GAATGCN		2914	93	2821-2913					
G CATTC									
Bsp1286 I	21	654	1021	5678-653					
GDGCH C		783	755	3261-4015					
		1032	746	2515-3260					
		1416	710	4435-5144					
		1536	533	5145-5677					
		1668	384	1032-1415					
		1736	260	2130-2389					

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		1899	249	783-1031			1786	585	1786-2370
		1938	190	4183-4372			2371	529	2570-3098
		2089	163	1736-1898			2398	366	1225-1590
		2130	151	1938-2088			2570	237	3777-4013
		2390	132	1536-1667			3099	201	4014-4214
		2515	129	654-782			3777	172	2398-2569
		3261	125	2390-2514			4014	138	1591-1728
		4016	120	1416-1535			4215	112	5461-5572
		4109	93	4016-4108			5461	57	1729-1785
		4183	74	4109-4182			5573	27	2371-2397
		4373	68	1668-1735			5586	13	5573-5585
		4435	62	4373-4434					
		5145	41	2089-2129	BssKI	33	89	1087	2517-3603
		5678	39	1899-1937	JCCGGG		282	472	5137-5608
BspEI	1	1331	6045	1331-1330			641	396	3676-4071
T CCGGA							657	390	4455-4844
BspHI	2	3496	4273	5268-3495			782	359	282-640
T CATGA		5268	1772	3496-5267			894	336	1536-1871
							969	316	2121-2436
BspLU11 I	1	5988	6045	5988-5987			1023	272	1023-1294
A CATGT							1295	223	4232-4454
							1377	218	5609-5826
BspMI	3	3957	5214	4788-3956			1422	193	89-281
ACCTGCNNNN		4338	450	4338-4787			1535	192	1929-2120
NNNNNNNNGCAGGT ...4788		...4788	381	3957-4337			1536	189	4845-5033
							1872	173	5961-88
BsrBI	4	3330	4638	4737-3329			1929	160	4072-4231
GAG CGG		3494	1189	3494-4682			2121	125	657-781
CCG CTC		4683	164	3330-3493			2437	121	5840-5960
		4737	54	4683-4736			2448	113	1422-1534
							2507	112	782-893
BsrDI	4	1405	3147	4303-1404			2517	103	5034-5136
GCAATGNN		2340	1807	2496-4302			3604	82	1295-1376
CATTGC		2496	935	1405-2339			3659	75	894-968
		4303	156	2340-2495			3676	59	2448-2506
BsrFI	7	601	1793	4853-600			4072	57	1872-1928
R CCGGY		764	1551	1736-3286			4232	55	3604-3658
		1736	1102	3287-4388			4455	54	969-1022
		3287	972	764-1735			4845	45	1377-1421
		4389	283	4570-4852			5034	17	3659-3675
		4570	181	4389-4569			5137	16	641-656
		4853	163	601-763			5609	13	5827-5839
							5827	11	2437-2447
							5840	10	2507-2516
							5961	1	1535-1535
BsrGI	1	1323	6045	1323-1322	BssSI	4	794	3868	794-4661
T GTACA					C ACGAG		4662	1027	4788-5814
					C TCGTG		4788	1024	5815-793
BsrI	15	296	1246	4215-5460			5815	126	4662-4787
ACTGGN		1225	929	296-1224					
C CAGT		1591	755	5586-295	BstBI	1	4752	6045	4752-4751
		1729	678	3099-3776	TT CGAA				

Sites					Fragments						
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends		
BstF5 I GGATGNN CATCC	13	654	1833	4866-653			5022	63	4959-5021		
		1020	1167	2589-3755			5091	31	3414-3444		
		1365	474	1434-1907			5364	24	3390-3413		
		1434	457	3930-4386			5945	20	3370-3389		
		1908	454	4412-4865	BstXI	3	1445	5239	2251-1444		
		2139	366	654-1019			1769	482	1769-2250		
		2367	345	1020-1364			2251	324	1445-1768		
		2589	231	1908-2138	BstYI R GATCY	12	586	1527	2714-4240		
		3756	228	2139-2366			1113	1365	1340-2704		
		3930	222	2367-2588			1340	1284	5347-585		
		4387	174	3756-3929			2705	527	586-1112		
		4412	69	1365-1433			2714	392	4487-4878		
		4866	25	4387-4411			4241	359	4879-5237		
		BstNI CC WGG	25	91			1087	2519-3605	4487	246	4241-4486
				284			779	3678-4456	4879	227	1113-1339
659	690			5139-5828			5238	86	5250-5335		
784	579			4457-5035			5250	12	5238-5249		
896	450			1424-1873			5336	11	5336-5346		
971	375			284-658			5347	9	2705-2713		
1025	354			1025-1378	Bsu36 I CC TNAGG	2	3550	4413	5182-3549		
1379	316			2123-2438			5182	1632	3550-5181		
1424	193			91-283			Cac8 I GCN NGC	46	87	736	2553-3288
1874	192			1931-2122					280	560	5378-5937
1931	173			5963-90					594	508	1722-2229
2123	125			659-783					737	314	280-593
2439	121			5842-5962					770	310	832-1141
2450	112			784-895					818	283	4572-4854
2509	103			5036-5138					832	273	3346-3618
2519	75			896-970					1142	256	1149-1404
3606	59			2450-2508	1149	254			3710-3963		
3661	57			1874-1930	1405	219			4150-4368		
3678	55			3606-3660	1522	211			5167-5377		
4457	54			971-1024	1526	193			87-279		
5036	45			1379-1423	1601	187			4855-5041		
5139	17			3661-3677	1718	187			2290-2476		
5829	13			5829-5841	1722	186			3964-4149		
5842	11			2439-2449	2230	157	5975-86				
5963	10			2509-2518	2241	143	594-736				
BstUI CG CG	16	61	1734	1260-2993	2290	117	1405-1521				
		942	881	61-941	2477	117	1601-1717				
		1260	691	3445-4135	2515	75	1526-1600				
		2994	581	5364-5944	2553	66	4369-4434				
		3370	438	4437-4874	3289	56	5089-5144				
		3390	376	2994-3369	3332	54	4518-4571				
		3414	318	942-1259	3346	53	3638-3690				
		3445	301	4136-4436	3619	49	2241-2289				
		4136	273	5091-5363	3638	48	770-817				
		4437	161	5945-60	3691	47	5042-5088				
		4875	84	4875-4958	3710	43	3289-3331				
		4959	69	5022-5090							

Sites					Fragments					Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		3964	41	4473-4513				92	1449-1540			1147	92	1449-1540				92	1449-1540
		4150	38	2515-2552				90	5734-5823			1188	90	5734-5823				90	5734-5823
		4369	38	2477-2514				84	4055-4138			1221	84	4055-4138				84	4055-4138
		4435	37	5938-5974				83	4460-4542			1321	83	4460-4542				83	4460-4542
		4441	33	737-769				81	3897-3977			1377	81	3897-3977				81	3897-3977
		4469	28	4441-4468				81	3178-3258			1382	81	3178-3258				81	3178-3258
		4473	22	5145-5166				79	1767-1845			1414	79	1767-1845				79	1767-1845
		4514	19	3691-3709				79	5579-5657			1441	79	5579-5657				79	5579-5657
		4518	19	3619-3637				76	4214-4289			1449	76	4214-4289				76	4214-4289
		4572	14	3332-3345				73	1970-2042			1541	73	1970-2042				73	1970-2042
		4855	14	818-831				73	1897-1969			1603	73	1897-1969				73	1897-1969
		5042	11	2230-2240				72	3609-3680			1621	72	3609-3680				72	3609-3680
		5089	7	1142-1148				72	816-887			1720	72	816-887				72	816-887
		5145	6	4435-4440				71	1076-1146			1724	71	1076-1146				71	1076-1146
		5167	4	1718-1721				69	2087-2155			1749	69	2087-2155				69	2087-2155
		5378	4	4514-4517				67	567-633			1767	67	567-633				67	567-633
		5938	4	4469-4472				65	5514-5578			1846	65	5514-5578				65	5514-5578
		5975	4	1522-1525				63	4326-4388			1886	63	4326-4388				63	4326-4388
								62	1541-1602			1897	62	1541-1602				62	1541-1602
								61	4857-4917			1970	61	4857-4917				61	4857-4917
								57	5079-5135			2043	57	5079-5135				57	5079-5135
								56	1321-1376			2087	56	1321-1376				56	1321-1376
								52	687-738			2156	52	687-738				52	687-738
								48	988-1035			2189	48	988-1035				48	988-1035
								46	5688-5733			2203	46	5688-5733				46	5688-5733
								45	2243-2287			2239	45	2243-2287				45	2243-2287
								44	4389-4432			2243	44	4389-4432				44	4389-4432
								44	2043-2086			2288	44	2043-2086				44	2043-2086
								43	5460-5502			2397	43	5460-5502				43	5460-5502
								42	43-84			2422	42	43-84				42	43-84
								41	1147-1187			2453	41	1147-1187				41	1147-1187
								41	3568-3608			2468	41	3568-3608				41	3568-3608
								40	1846-1885			2495	40	1846-1885				40	1846-1885
								39	5040-5078			2507	39	5040-5078				39	5040-5078
								38	4176-4213			2513	38	4176-4213				38	4176-4213
								37	4574-4610			2609	37	4574-4610				37	4574-4610
								36	2203-2238			2624	36	2203-2238				36	2203-2238
								33	739-771			2739	33	739-771				33	739-771
								33	2156-2188			2849	33	2156-2188				33	2156-2188
								33	634-666			3016	33	634-666				33	634-666
								33	1188-1220			3036	33	1188-1220				33	1188-1220
								32	1382-1413			3178	32	1382-1413				32	1382-1413
								31	2422-2452			3259	31	2422-2452				31	2422-2452
								29	5431-5459			3273	29	5431-5459				29	5431-5459
								29	3804-3832			3287	29	3804-3832				29	3804-3832
								27	1414-1440			3568	27	1414-1440				27	1414-1440
								27	4003-4029			3609	27	4003-4029				27	4003-4029
								27	4830-4856			3681	27	4830-4856				27	4830-4856
								27	4543-4569			3804	27	4543-4569				27	4543-4569
								27	2468-2494			3833	27	2468-2494				27	2468-2494
								26	5922-5947			3839	26	5922-5947				26	5922-5947
								25	2397-2421			3848	25	2397-2421				25	2397-2421
								25	1724-1748			3856	25	1724-1748				25	1724-1748

Sites				Fragments		Sites				Fragments	
Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends	Number	Position	Length	Ends
	3879	25	4030-4054		1337	849	2701-3549				
	3891	25	5658-5682		1614	449	4733-5181				
	3897	24	4152-4175		1819	409	5305-5713				
	3978	23	4611-4633		2072	302	3550-3851				
	3995	23	3856-3878		2181	299	2181-2479				
	4003	23	787-809		2480	277	1337-1613				
	4030	20	1036-1055		2502	253	1819-2071				
	4055	20	667-686		2701	205	1614-1818				
	4139	20	1056-1075		3550	199	2502-2700				
	4148	20	3016-3035		3852	123	5182-5304				
	4152	19	4307-4325		4733	109	2072-2180				
	4176	19	5150-5168		5182	102	1235-1336				
	4214	18	5948-5965		5305	22	2480-2501				
	4290	18	1749-1766		5714	18	1217-1234				
	4307	18	1603-1620								
	4326	17	3978-3994	DpnI GA TC	26	588	1209	5424-587			
	4389	17	4443-4459			1115	1180	2729-3908			
	4433	17	4290-4306			1263	531	1688-2218			
	4443	16	4634-4649			1301	527	588-1114			
	4460	15	772-786			1342	488	2219-2706			
	4543	15	2453-2467			1688	376	4489-4864			
	4570	15	2609-2623			2219	359	4881-5239			
	4574	14	2189-2202			2707	346	1342-1687			
	4611	14	3259-3272			2716	311	3932-4242			
	4634	14	3273-3286			2729	148	1115-1262			
	4650	12	3879-3890			3909	81	4321-4401			
	4830	12	2495-2506			3913	78	4243-4320			
	4857	11	5503-5513			3932	78	4411-4488			
	4918	11	5169-5179			4243	78	5252-5329			
	5040	11	1886-1896			4321	75	5349-5423			
	5079	11	5966-5976			4402	41	1301-1341			
	5136	10	4433-4442			4411	38	1263-1300			
	5143	9	3839-3847			4489	19	3913-3931			
	5150	9	85-93			4865	16	4865-4880			
	5169	9	4139-4147			4881	13	2716-2728			
	5180	8	3995-4002			5240	12	5240-5251			
	5431	8	3848-3855			5252	11	5338-5348			
	5460	8	1441-1448			5330	9	4402-4410			
	5503	7	5143-5149			5338	9	2707-2715			
	5514	7	5136-5142			5349	8	5330-5337			
	5579	6	2507-2512			5424	4	3909-3912			
	5658	6	3891-3896								
	5683	6	3833-3838	DraI TTT AAA	3	2772	3584	5233-2771			
	5688	6	810-815			5214	2442	2772-5213			
	5734	5	1377-1381			5233	19	5214-5232			
	5824	5	5683-5687								
	5922	4	4570-4573	DraIII CACNNN GTG	1	3186	6045	3186-3185			
	5948	4	4148-4151								
	5966	4	2239-2242								
	5977	4	1720-1723								
DdeI C TNAG	16	1217	1548	5714-1216	DrdI GACNNNN NNGTC	3	3141	3300	5886-3140		
		1235	881	3852-4732		4097	1789	4097-5885			
						5886	956	3141-4096			

Sites					Fragments				
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
Dsal	6	361	1904	4502-360			894	450	1422-1871
C CRYGG		612	1660	612-2271			969	375	282-656
		2272	1494	2305-3798			1023	354	1023-1376
		2305	703	3799-4501			1377	316	2121-2436
		3799	251	361-611			1422	193	89-281
		4502	33	2272-2304			1872	192	1929-2120
							1929	173	5961-88
EaeI	10	685	2162	4568-684			2121	125	657-781
Y GGCCR		1074	1525	2451-3975			2437	121	5840-5960
		1375	707	1447-2153			2448	112	782-893
		1447	391	4150-4540			2507	103	5034-5136
		2154	389	685-1073			2517	75	894-968
		2451	301	1074-1374			3604	59	2448-2506
		3976	297	2154-2450			3659	57	1872-1928
		4150	174	3976-4149			3676	55	3604-3658
		4541	72	1375-1446			4455	54	969-1022
		4568	27	4541-4567			5034	45	1377-1421
							5137	17	3659-3675
EagI	1	3976	6045	3976-3975			5827	13	5827-5839
C GGCCG							5840	11	2437-2447
							5961	10	2507-2516
EarI	4	1610	3031	4624-1609	EcoRV	1	2002	6045	2002-2001
CTCTTCN		3537	1927	1610-3536	GAT ATC				
NNNNGAAGAG		4414	877	3537-4413					
		4624	210	4414-4623	EheI	1	4071	6045	4071-4070
					GGC GCC				
Ecl136 II	1	1414	6045	1414-1413	FauI	16	94	1197	947-2143
GAG CTC					CCCGC NNNN		120	1179	2144-3322
Eco47 III	1	597	6045	597-596	NNNNNNNGCGGG		287	1043	5096-93
AGC GCT							839	552	287-838
Eco57 I	7	767	2489	1727-4215			947	537	4193-4729
CTGAAGNNNNNNNNNN		1010	1366	5446-766			2144	425	3768-4192
NNNNNNNNNNNNNNNC		1489	798	4648-5445			3323	355	3392-3746
		1727	479	1010-1488			3392	167	120-286
		4216	432	4216-4647			3747	138	4730-4867
		4648	243	767-1009			3768	108	839-946
		5446	238	1489-1726			4193	96	4868-4963
							4730	81	5015-5095
EcoNI	2	2453	5865	2633-2452			4868	69	3323-3391
CCTNN NNNAGG		2633	180	2453-2632			4964	51	4964-5014
							5015	26	94-119
EcoO109 I	1	5168	6045	5168-5167			5096	21	3747-3767
RG GNCCY					Fnu4HI	41	773	872	5946-772
EcoRI	2	1710	5647	2108-1709	GC NGC		854	649	1644-2292
G AATTC		2108	398	1710-2107			1138	519	2847-3365
							1145	438	3402-3839
EcoRII	25	89	1087	2517-3603			1196	339	4809-5147
CCWGG		282	779	3676-4454			1199	326	1293-1618
		657	690	5137-5826			1293	284	854-1137
		782	579	4455-5033			1619	260	2365-2624

[illegible]

	Sites	Fragments		Sites	Fragments
	Number Position	Length Ends		Number Position	Length Ends
	3344	266 4173-4438		1487	924 411-1334
	3370	260 4439-4698		2660	782 4836-5617
	3392	260 1260-1519		3113	453 2660-3112
	3401	176 4699-4874		3135	442 6014-410
	3414	174 5473-5646		3545	410 3135-3544
	3445	109 5364-5472		4555	396 5618-6013
	4064	100 5647-5746		4689	152 1335-1486
	4072	86 4875-4960		4741	134 4555-4688
	4136	67 5747-5813		4799	58 4741-4798
	4173	64 4072-4135		4836	52 4689-4740
	4439	41 903-943		5618	37 4799-4835
	4699	37 4136-4172		6014	22 3113-3134
	4875	31 3414-3444	HpaI GTT AAC	1	2833 6045 2833-2832
	4961	26 3344-3369	HpaII C CGG	25	602 975 1737-2711
	5364	22 3370-3391			642 864 5783-601
	5473	13 3401-3413			705 687 3288-3974
	5647	9 3392-3400			765 576 2712-3287
	5747	8 4064-4071			1296 531 765-1295
	5814	8 3336-3343			1332 474 4946-5419
HinP1 I G CGC	27	596 972 2362-3333			1537 275 4571-4845
		901 829 5812-595			1737 205 1332-1536
		942 619 3443-4061			2712 200 1537-1736
		1258 490 1518-2007			3288 190 5420-5609
		1518 403 4959-5361			3975 181 4390-4570
		2008 354 2008-2361			4052 147 5636-5782
		2362 316 942-1257			4074 131 4102-4232
		3334 305 596-900			4102 92 4854-4945
		3342 266 4171-4436			4233 90 4233-4322
		3368 260 4437-4696			4323 77 3975-4051
		3390 260 1258-1517			4390 67 4323-4389
		3399 176 4697-4872			4571 63 642-704
		3412 174 5471-5644			4846 60 705-764
		3443 109 5362-5470			4854 40 602-641
		4062 100 5645-5744			4946 36 1296-1331
		4070 86 4873-4958			5420 28 4074-4101
		4134 67 5745-5811			5610 26 5610-5635
		4171 64 4070-4133			5636 22 4052-4073
		4437 41 901-941			5783 8 4846-4853
		4697 37 4134-4170	HphI GGTGANNNNNNNN NNNNNNNTCACC	17	377 1165 5257-376
		4873 31 3412-3442			628 1061 3187-4247
		4959 26 3342-3367			631 893 4248-5140
		5362 22 3368-3389			961 672 1114-1785
		5471 13 3399-3411			985 497 2690-3186
		5645 9 3390-3398			1114 330 631-960
		5745 8 4062-4069			1786 306 1906-2211
		5812 8 3334-3341			1906 267 2321-2587
HincII GTY RAC	2	2098 5310 2833-2097			2212 251 377-627
		2833 735 2098-2832			2266 129 985-1113
Hinfl G ATNC	14	411 1173 1487-2659			2321 120 1786-1905
		1335 1010 3545-4554			

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		2588	116	5141-5256			904	877	3554-4430
		2690	102	2588-2689			1099	630	2696-3325
		3187	55	2266-2320			1495	396	1099-1494
		4248	54	2212-2265			1597	228	3326-3553
		5141	24	961-984			1649	210	4431-4640
		5257	3	628-630			1733	200	4888-5087
KasI G GCGCC									
1	4069	6045	4069-4068						
MaeII A CGT									
22	123	891	3295-4185						
	135	881	5287-122						
	176	781	4373-5153						
	259	559	2571-3129						
	340	500	1813-2312						
	445	309	1062-1370						
	678	283	1530-1812						
	891	258	2313-2570						
	1062	233	445-677						
	1371	213	678-890						
	1530	187	4186-4372						
	1813	171	891-1061						
	2313	159	1371-1529						
	2571	133	5154-5286						
	3130	110	3185-3294						
	3142	105	340-444						
	3185	83	176-258						
	3295	81	259-339						
	4186	43	3142-3184						
	4373	41	135-175						
	5154	12	123-134						
	5287	12	3130-3141						
MaeIII GTNAC									
17	62	819	3371-4189						
	149	801	1460-2260						
	498	690	4496-5185						
	796	549	2309-2857						
	1285	501	2858-3358						
	1460	489	796-1284						
	2261	476	5631-61						
	2309	349	149-497						
	2858	306	4190-4495						
	3359	298	498-795						
	3371	266	5186-5451						
	4190	175	1285-1459						
	4496	116	5452-5567						
	5186	87	62-148						
	5452	63	5568-5630						
	5568	48	2261-2308						
	5631	12	3359-3370						
MboII GAAGANNNNNNNN									
19	856	1570	5331-855						
	901	894	1733-2626						

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		3545	40	2749-2788	CMG CKG		3568	1682	1886-3567
		3823	39	2599-2637			4176	1229	4176-5404
		3829	38	1922-1959			5405	608	3568-4175
		3853	31	4877-4907			5650	245	5405-5649
		3859	27	2641-2667					
		3866	24	3829-3852	MwoI	42	91	745	2552-3296
		3869	18	2581-2598	GCNNNNNN NNGC		213	573	831-1403
		3881	12	2674-2685			245	572	5370-5941
		3921	12	940-951			284	444	1596-2039
		3985	12	3869-3880			377	304	401-704
		4121	9	2789-2797			401	267	4513-4779
		4478	9	2572-2580			705	239	3398-3636
		4671	7	3859-3865			765	216	3845-4060
		4877	6	2668-2673			778	204	4967-5170
		4908	6	3823-3828			822	199	5171-5369
		5191	6	703-708			831	194	5942-90
		5561	6	3853-3858			1404	192	1404-1595
		5811	3	2638-2640			1596	187	4780-4966
		5885	3	3866-3868			2040	156	2186-2341
							2162	139	4168-4306
							2186	122	91-212
							2342	122	2040-2161
							2394	117	4313-4429
							2481	93	284-376
							2552	87	2394-2480
							3297	84	4061-4144
							3327	83	4430-4512
							3354	79	3760-3838
							3396	72	3637-3708
							3398	71	2481-2551
							3637	60	705-764
							3709	52	2342-2393
							3760	51	3709-3759
							3839	44	778-821
							3845	42	3354-3395
							4061	39	245-283
							4145	32	213-244
							4168	30	3297-3326
							4307	27	3327-3353
							4313	24	377-400
							4430	24	2162-2185
							4513	23	4145-4167
							4780	13	765-777
							4967	9	822-830
							5171	6	3839-3844
							5370	6	4307-4312
							5942	2	3396-3397
					NaeI	3	3289	4479	4855-3288
					GCC GGC		4572	1283	3289-4571
							4855	283	4572-4854
					NarI	1	4070	6045	4070-4069

Sites Number Position Fragments Length Ends					Sites Number Position Fragments Length Ends				
GG CGCC					6043 11 2276-2286				
NciI CC SGG	8	643	2536	1538-4073	NlaIV GGN NCC	24	468	848	4106-4953
		1297	1077	5611-642			651	843	5078-5920
		1537	764	4847-5610			1189	553	5960-467
		1538	654	643-1296			1560	538	651-1188
		4074	613	4234-4846			1591	518	2707-3224
		4234	240	1297-1536			2086	495	1591-2085
		4847	160	4074-4233			2127	389	3682-4070
		5611	1	1537-1537			2319	371	1189-1559
NcoI C CATGG	5	361	1904	4502-360			2387	271	2436-2706
		612	1660	612-2271			2436	192	2127-2318
		2272	1527	2272-3798			2707	191	3258-3448
		3799	703	3799-4501			3225	183	468-650
		4502	251	361-611			3246	161	3449-3609
NdeI CA TATG	2	235	4119	2161-234			3258	79	4954-5032
		2161	1926	235-2160			3449	72	3610-3681
NgoMI G CCGGC	3	3287	4479	4853-3286			3610	68	2319-2386
		4570	1283	3287-4569			3682	49	2387-2435
		4853	283	4570-4852			4071	45	5033-5077
NheI G CTAGC	1	592	6045	592-591			4106	41	2086-2126
							4954	39	5921-5959
NlaIII CATG	27	305	1021	2479-3499			5033	35	4071-4105
		365	720	5272-5991			5078	31	1560-1590
		616	495	1315-1809			5921	21	3225-3245
		850	384	4888-5271			5960	12	3246-3257
		880	356	4532-4887	NsiI ATGCA T	3	3642	3642	6045-3641
		1075	345	3944-4288			3714	2331	3714-6044
		1270	307	6043-304			6045	72	3642-3713
		1315	251	365-615					
		1810	241	1957-2197	NspI RCATG Y	5	2479	2532	5992-2478
		1957	234	616-849			3640	1517	4475-5991
		2198	195	1075-1269			3712	1161	2479-3639
		2276	195	880-1074			4475	763	3712-4474
		2287	192	2287-2478			5992	72	3640-3711
		2479	186	4289-4474	PfiMI CCANNNN NTGG	1	2377	6045	2377-2376
		3500	147	1810-1956					
		3640	141	3803-3943	PleI GAGTCNNNN NNNNNGACTC	8	405	1640	1481-3120
		3712	140	3500-3639			1329	1182	3553-4734
		3803	91	3712-3802			1481	924	405-1328
		3944	78	2198-2275			3121	877	4735-5611
		4289	72	3640-3711			3129	838	5612-404
		4475	60	305-364			3553	424	3129-3552
		4506	51	5992-6042			4735	152	1329-1480
		4532	45	1270-1314			5612	8	3121-3128
		4888	31	4475-4505	Pml I CAC GTG	1	1531	6045	1531-1530
		5272	30	850-879					
		5992	26	4506-4531	Ppu10 I	3	3638	3642	6041-3637

	<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>			<u>Sites</u>		<u>Fragments</u>	
	Number	Position	Length	Ends		Number	Position	Length	Ends
A TGCAT		3710	2331	3710-6040			4487	19	3911-3929
		6041	72	3638-3709			4863	16	4863-4878
PshAI	1	1983	6045	1983-1982			4879	13	2714-2726
GACNN NNGTC							5238	12	5238-5249
PstI	1	822	6045	822-821			5250	11	5336-5346
CTGCA G							5328	9	4400-4408
PvuII	3	1886	3755	4176-1885			5336	9	2705-2713
CAG CTG		3568	1682	1886-3567			5347	8	5328-5335
		4176	608	3568-4175			5422	4	3907-3910
RsaI	12	220	1889	4376-219	Sau96 I	14	84	1409	3177-4585
GT AC		245	1806	2570-4375	G GNCC		277	961	5168-83
		300	978	1325-2302			786	816	1705-2520
		333	502	541-1042			1187	569	2608-3176
		384	282	1043-1324			1270	509	277-785
		541	157	2303-2459			1705	445	4586-5030
		1043	157	384-540			2521	435	1270-1704
		1325	110	2460-2569			2608	401	786-1186
		2303	55	245-299			3177	193	84-276
		2460	51	333-383			4586	87	2521-2607
		2570	33	300-332			5031	83	1187-1269
		4376	25	220-244			5077	58	5077-5134
RsrII	1	4586	6045	4586-4585			5135	46	5031-5076
CG GWCCG							5168	33	5135-5167
SacI	1	1416	6045	1416-1415	ScrFI	33	91	1087	2519-3605
GAGCT C					CC NGG		284	472	5139-5610
SapI	3	1610	3031	4624-1609			643	396	3678-4073
GCTCTTCN		4414	2804	1610-4413			659	390	4457-4846
NNNNGAAGAGC		4624	210	4414-4623			784	359	284-642
Sau3AI	26	586	1209	5422-585			896	336	1538-1873
GATC		1113	1180	2727-3906			971	316	2123-2438
		1261	531	1686-2216			1025	272	1025-1296
		1299	527	586-1112			1297	223	4234-4456
		1340	488	2217-2704			1379	218	5611-5828
		1686	376	4487-4862			1424	193	91-283
		2217	359	4879-5237			1537	192	1931-2122
		2705	346	1340-1685			1538	189	4847-5035
		2714	311	3930-4240			1874	173	5963-90
		2727	148	1113-1260			1931	160	4074-4233
		3907	81	4319-4399			2123	125	659-783
		3911	78	4241-4318			2439	121	5842-5962
		3930	78	4409-4486			2450	113	1424-1536
		4241	78	5250-5327			2509	112	784-895
		4319	75	5347-5421			2519	103	5036-5138
		4400	41	1299-1339			3606	82	1297-1378
		4409	38	1261-1298			3661	75	896-970
							3678	59	2450-2508
							4074	57	1874-1930
							4234	55	3606-3660
							4457	54	971-1024
							4847	45	1379-1423
							5036	17	3661-3677

Sites					Fragments				
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends
		5139	16	643-658	AAT ATT		3531	553	2978-3530
		5611	13	5829-5841					
		5829	11	2439-2449	StuI	2	2507	4661	3891-2506
		5842	10	2509-2518	AGG CCT		3891	1384	2507-3890
		5963	1	1537-1537					
SexAI	2	2121	4507	3659-2120	StyI	8	361	1660	612-2271
A CCWGGT		3659	1538	2121-3658	C CWWGG		612	1499	4907-360
							2272	1345	2454-3798
							2454	610	3892-4501
SfaNI	22	358	1183	4708-5890			3799	405	4502-4906
GCATCNNNNN		712	763	2886-3648			3892	251	361-611
NNNNNNNNNGATGC ...		990	518	1630-2147			4502	182	2272-2453
		1005	512	5891-357			4907	93	3799-3891
		1104	468	2418-2885					
		1368	354	358-711	Tail	22	126	891	3298-4188
		1443	307	3721-4027	ACGT		138	881	5290-125
		1443	278	712-989			179	781	4376-5156
		1630	264	1104-1367			262	559	2574-3132
		2148	255	4028-4282			343	500	1816-2315
		2376	228	2148-2375			448	309	1065-1373
		2418	209	4499-4707			681	283	1533-1815
		2886	187	1443-1629			894	258	2316-2573
		3649	99	1005-1103			1065	233	448-680
		3721	86	4283-4368			1374	213	681-893
		4028	75	1368-1442			1533	187	4189-4375
		4283	72	3649-3720			1816	171	894-1064
		4369	66	4433-4498			2316	159	1374-1532
		4433	64	4369-4432			2574	133	5157-5289
		4499	42	2376-2417			3133	110	3188-3297
		4708	15	990-1004			3145	105	343-447
		5891					3188	83	179-261
Sfcl	6	818	2127	3405-5531			3298	81	262-342
C TRYAG		1887	1197	2208-3404			4189	43	3145-3187
		2208	1140	5723-817			4376	41	138-178
		3405	1069	818-1886			5157	12	126-137
		5532	321	1887-2207			5290	12	3133-3144
		5723	191	5532-5722					
Sfil	1	3845	6045	3845-3844	TaqI	19	663	1215	2004-3218
GGCCNNNN NGGCC					T CGA		957	838	5052-5889
							984	818	5890-662
							999	691	3219-3909
SmaI	1	1538	6045	1538-1537			1128	653	1345-1997
CCC GGG							1345	294	663-956
							1998	273	3910-4182
SnaBI	1	341	6045	341-340			2004	255	4797-5051
TAC GTA							3219	217	1128-1344
							3910	191	4561-4751
SphI	4	2479	4049	4475-2478			4183	162	4399-4560
GCATG C		3640	1161	2479-3639			4339	156	4183-4338
		3712	763	3712-4474			4363	129	999-1127
		4475	72	3640-3711			4399	45	4752-4796
							4561	36	4363-4398
SspI	2	2978	5492	3531-2977			4752	27	957-983

Sites					Fragments															
Number		Position	Length	Ends	Number		Position	Length	Ends											
		4797	24	4339-4362			2999	78	2884-2961											
		5052	15	984-998			3646	72	3646-3717											
		5890	6	1998-2003			3718	64	2820-2883											
Tfil G AWTC	6	2660	2691	6014-2659			3810	26	2962-2987											
		4555	1895	2660-4554			5228	11	2988-2998											
		4689	1178	4836-6013	TspRI CAGTGNN CACTGNN	13	827	1283	2916-4198											
		4799	134	4555-4688			1513	1279	5593-826											
		4836	110	4689-4798			1591	1110	4199-5308											
		6014	37	4799-4835			1736	686	827-1512											
			2068	346			2570-2915													
			2398	332			1736-2067													
TseI G CWGC	25	772	1170	5647-771	2434	330	2068-2397	2570	271	5309-5579										
		853	665	3365-4029	2916	145	1591-1735	4199	136	2434-2569										
		1137	649	1643-2291	5309	78	1513-1590	5580	36	2398-2433										
		1144	519	2846-3364	5593	13	5580-5592													
		1195	453	4694-5146	Tth111 I GACN NNGTC	1	4188	6045	4188-4187											
		1198	420	1198-1617			XbaI T CTAGA	1	2717	6045	2717-2716									
		1618	387	4307-4693					XcmI CCANNNNNN NNNNNTGG...	1	1769	6045	1769-1768							
		1643	284	853-1136							XhoI C TCGAG	1	1344	6045	1344-1343					
		2292	260	2364-2623									XmaI C CCGGG	1	1536	6045	1536-1535			
		2336	226	5147-5372											XmnI GAANN NN TTC	1	1783	6045	1783-1782	
		2364	222	2624-2845																
		2624	206	5373-5578																
		2846	101	4030-4130																
		3365	93	4214-4306																
		4030	81	772-852																
		4131	65	5582-5646																
		4173	51	1144-1194																
		4214	44	2292-2335																
		4307	42	4131-4172																
		4694	41	4173-4213																
		5147	28	2336-2363																
		5373	25	1618-1642																
		5579	7	1137-1143																
		5582	3	5579-5581																
5647	3	1195-1197																		
Tsp45 I GTSAC	8	796	2345	4496-795																
		1285	1050	2309-3358																
		1460	831	3359-4189																
		2261	801	1460-2260																
		2309	489	796-1284																
		3359	306	4190-4495																
		4190	175	1285-1459																
		4496	48	2261-2308																
Tsp509 I AATT	12	19	1691	19-1709																
		1710	1418	3810-5227																
		2108	836	5228-18																
		2820	712	2108-2819																
		2884	647	2999-3645																
		2962	398	1710-2107																
		2988	92	3718-3809																

The following restriction enzymes do not cut pEYFP-Tub:

AhdI, ApaI, AscI, Asp718 I, BsiWI, Bsp120 I, BssHII, Bst1107 I,
BstEII, FseI,

HindIII, KpnI, MluI, NotI, NruI, PacI, PmeI, PpuMI, Psp1406 I, PvuI,

SacII, Sal I, ScaI, SgfI, SgrAI, SpeI, SrfI, Sse8387 I, SwaI.